



Curriculum Vitae

Prof. MARIO PEZZOTTI

Dipartimento di Biotecnologie
Università di Verona
Strada Le Grazie, 15
37134 VERONA (Italy)
Centro Ricerca ed Innovazione
Fondazione Edmund Mach
38010 San Michele all'Adige (TRENTO)

Telefono

E-mail mario.pezzotti@univr.it
mario.pezzotti@fmach.it

FORMAZIONE

Luglio 1976	Diploma Liceo Scientifico "Carlo Jucci" Rieti
6 Marzo 1981	Laurea In Scienze Agrarie Università degli Studi di Perugia
Novembre 1985-Febbraio 1986	Visiting Scientist, Purdue University , Indiana, U.S.A.
Settembre 1991-Settembre 1993	Post Doc, Plant Genetic Systems, Gent, Belgio.

CARRIERA UNIVERSITARIA

Dal 2011	Professore Ordinario, Dipartimento di Biotecnologie, Università di Verona.
Dal 1998 al 2011	Professore Associato, Dipartimento Scientifico-Tecnologico, Università di Verona.
Dal 1990 al 1998	Ricercatore, Istituto di Allevamento Vegetale, Facoltà di Agraria, Università di Perugia.
Dal 1984 al 1990	Ricercatore presso il Centro Miglioramento Genetico delle Piante Foraggere del C.N.R., Perugia.
Dal 1982 al 1984	Ricercatore a tempo determinato presso il Centro Miglioramento Genetico delle Piante Foraggere del C.N.R., Perugia.

INSEGNAMENTI IMPARTITI

Dal 2020 al 2021	Risorse Genetiche delle Piante , L2, Università di Verona
Dal 2010 al 2021	Genomica e Biotecnologie della Vite, L25, Università di Verona.
Dal 2006 al 2021	Genetica e Miglioramento Genetico, L25 Università di Verona.
Dal 2006 al 2008	OGM e MGM, Laurea Biotecnologie Agrarie Industriali, Università di Verona.
Dal 2006 al 2008	Molecular Farming, Laurea Biotecnologie Agrarie Industriali, Università di Verona.
Dal 2011 al 2013	Plant Genetics, corso in Inglese, presso la Libera Università di Bolzano, Facoltà di Scienze, Master in Fruit Science.
2004	Tecniche di Biotecnologie, Laurea Biotecnologie Agrarie Industriali, Università di Verona.
2004	Genetica Molecolare Vegetale, Laurea Biotecnologie Agrarie Industriali, Università di Verona.
2003	Genetica Vegetale e Biotecnologie, Laurea Biotecnologie Agrarie Industriali, Università di Verona.
Dal 1998 al 2008	Genetica, Laurea in Biotecnologie Industriali ,Università di Verona.
Dal 1990 al 1998	Ricercatore Esercitatore di Risorse Genetiche Agrarie, Università di Perugia.

SUPERVISIONE DI TESI DI LAUREA

Dal 1999 ad oggi Supervisore di 15 Tesi di Laurea e 50 Tesi di Laurea Magistrale

SUPERVISIONE DI TESI DI DOTTORATO

Dal 1999 ad oggi Membro del collegio dei Docenti del Dottorato in "Biotecnologie", Università di Verona.
Supervisore di 14 Tesi di Dottorato:

Sara Zenoni, Linda Avesani, Anita Zamboni, Luisa Bortesi, Marina Purelli, Leone Minoia, Francesca Morandini, Matteo Bruschetta, Marianna Fasoli, Elisa Gecchele, Matilde Merlin, Melanie Massonet, Roberta Zampieri. Chiara Fattorini

CARICHE ACCADEMICHE

2017-2020 HCERES Agenzia francese di valutazione della ricerca: Membro e Presidente di numerose commissioni
2017-2019 Comitato di Gestione "Dipartimenti di Eccellenza" dell'Università di Verona: Membro
2015-2019 Comitato Scientifico "Centro Piattaforme Tecnologiche" dell'Università di Verona: Membro
2014-2019 Commissione Brevetti e Trasferimento Tecnologico" dell'Università di Verona: Membro
2013-2019 Delegato del Rettore per la Ricerca e il Trasferimento Tecnologico dell'Università di Verona.
2016-2018 Commissione Nazionale ASN per il settore concorsuale O7/E1: Membro
2010-2019 Commissioni locali presso vari Atenei per la selezione di ricercatori e professori del settore concorsuale O7E1 (Chimica Agraria e Genetica Agraria) e settore scientifico disciplinare AGR07: Membro
2002-2007 Rappresentante dei PA della Facoltà di Scienze nel Senato Accademico, Università di Verona.
2002-2007 Commissione "Bilancio e Programmazione" dell'Università di Verona: Membro

CARICHE SCIENTIFICHE

2021 ad oggi Dirigente del Centro di Ricerca ed Innovazione della Fondazione Mach (<https://cri.fmach.it>)
2020 Comitato "Tecnologie sostenibili, Agroalimentare, Risorse Naturali ed Ambientali" sezione "Gestione delle Risorse Agricole" per la definizione del PIANO NAZIONALE RICERCA 2021-2017 del MUR: Membro
2017-2019 Presidente della Società Italiana di Genetica Agraria.
2017-2019 Comitato Direttivo dell'Associazione Italiana delle Società Scientifiche in Agricoltura (AISSA): Membro
2017-2019 Comitato Direttivo della Federazione Italiana Scienze della Vita (FISV): Membro
2015-2019 "Cabina di Regia" Università- Regione Veneto": Membro
2017-2019 Presidente di Start Cup Veneto.
2015-2017 Vice-Presidente eletto della Società Italiana di Genetica Agraria.
Dal 2015 Vice Presidente del Comitato "International Grape Genome Program".
Dal 2014 Accademia dei Georgofili: socio onorario
Dal 2008 Comitato Scientifico "Osservatorio Vino e Salute" Grinzane Cavour: Membro
2008-2010 Commissione Nazionale Bio-Sicurezza, Biotecnologie e Scienze della Vita, della Presidenza del Consiglio: Membro
Dal 2007 Accademia di Agricoltura, Scienze e Lettere di Verona: Membro Permanente

PRINCIPALI INTERESSI DI RICERCA

L'attività scientifica ha riguardato tre grandi argomenti:

1-Decifrazione del genoma della vite e conseguente sviluppo di tecnologie genomiche per lo studio di fenomeni biologici in questa specie, in particolare il processo di maturazione e appassimento della bacca, la plasticità fenotipica del trascrittoma e l'interazione genotipo-ambiente.

5 pubblicazioni più significative

1. Dal Santo S, Zenoni S, Sandri M, De Lorenzis G, Magris G, De Paoli E, Di Gaspero G, Del Fabbro C, Morgante M, Brancadoro L, Grossi D, Fasoli M, Zuccolotto P, Torielli GB, Pezzotti M. (2018) Grapevine field experiments reveal the contribution of genotype, the influence of environment and the effect of their interaction (GxE) on berry transcriptome Plant J. Jan 30
2. Palumbo MC, Zenoni S, Fasoli M, Massonnet M, Farina L, Castiglione F, Pezzotti M, Paci P. (2014) Integrated Network Analysis Identifies Fight-Club Nodes as a Class of Hubs Encompassing Key Putative Switch Genes That Induce Major Transcriptome Reprogramming during Grapevine Development. Plant Cell. Dec;26(12):4617-35.
3. Fasoli M, Dal Santo S, Zenoni S, Torielli GB, Farina L, Zmboni A, Porceddu A, Venturini L, Bicego M, Murino V, Ferrarini A, Delledonne M, Pezzotti M (2012) The grapevine expression atlas reveals a deep transcriptome shift driving the entire plant into a maturation program. Plant Cell. 2012 Sep;24(9):3489-505.
4. Dal Santo S, Torielli GB, Zenoni S, Fasoli M, Farina L, Anesi A, Guzzo F, Delledonne M, Pezzotti M. (2013) The plasticity of the grapevine berry transcriptome. Genome Biol. Jun 10;14(6):r54
5. Jaillon O, Aury JM, Noel B, Policriti A, Clepet C, Casagrande A, Choisne N, Aubourg S, Vitulo N, Jubin C, Vezzi A, Legeai F, Huguency P, Dasilva C, Horner D, Mica E, Jublot D, Poulain J, Bruyère C, Billault A, Segurens B, Gouyvenoux M, Ugarte E, Cattonaro F, Anthouard V, Vico V, Del Fabbro C, Alaux M, Di Gaspero G, Dumas V, Felice N, Paillard S, Juman I, Moroldo M, Scalabrin S, Canaguier A, Le Clainche I, Malacrida G, Durand E, Pesole G, Laucou V, Chatelet P, Mordinoglu D, Delledonne M, Pezzotti M, Lecharny A, Scarpelli C, Artiguenave F, Pè ME, Valle G, Morgante M, Caboche M, Adam-Blondon AF, Weissenbach J, Quétier F, Wincker P; French-Italian Public Consortium for Grapevine Genome Characterization.(2007)The grapevine genome sequence suggests ancestral hexaploidization in major angiosperm phyla. Nature. 2007 Sep 27;449(7161):463-7.

Progetti di ricerca finanziati sull'argomento

- PRIN 2017, 800.000 €, 3 anni.
- RIS3 REGIONE VENETO INNOVAA 400.000 €, 3 anni.
- COST ACTION 17111 INTEGRAPPE 800.000 €, 4 anni.
- H2020-MSCA-COFUND- e REGIONE VENETO 2016 INVITE 2.200.000 €, 3 anni.
- INNOVINE FP7 8.500.000 €, 4 anni.
- GALLO WINERY 500.000 € 3 anni.
- MIPAF VIGNETO 1.600.000 €, 2 anni.
- JOINT PROJECT University of Verona – MASI Agricola. 80.000 €, 2 anni.
- REGIONE VENETO VALVIVE 1.000.000 €, 3 anni.
- FONDAZIONE CARIVERONA 1.800.000 €, 5 anni.
- FONDAZIONE CARIVERONA 450.000 €, 5 anni
- MIPAF VIGNA 6.500.000 €, 3 anni.
- REGIONE VENETO: BACCA. 1.000.000 €, 2 anni.
- FONDAZIONE CARIVERONA 280.000 €, 2 anni.

2-Utilizzo delle piante come bioreattori per l'espressione di molecole ricombinanti di interesse farmaceutico (Molecular Farming), in particolare la pianta di tabacco per la produzione di proteine umane per la prevenzione e cura delle malattie autoimmuni.

5 pubblicazioni più significative

1. Zampieri R, Brozzetti A, Pericolini E, Bartoloni E, Gabrielli E, Roselletti E, Lomonosoff G, Meshcheriakova Y, Santi L, Imperatori F, Merlin M, Tinazzi E, Dotta F, Nigi L, Sebastiani G, Pezzotti M, Falornim A, Avesani L (2020) Prevention and treatment of autoimmune diseases with plant virus nanoparticles. Sciences Advances Sci Adv. 6;6(19)
2. Bertini E, Merlin M, Gecchele E, Puggia A, Brozzetti A, Commisso M, Falorni A, Bini V, Klymyuk V, Pezzotti M, Avesani L. (2018) Design of a Type-1 Diabetes Vaccine Candidate Using Edible Plants Expressing a Major Autoantigen. Front Plant Sci. 2018 May 1;9:572.
3. Avesani L, Vitale A, Pedrazzini E, Devirgilio M, Pompa A, Barbante A, Gecchele E, Dominici P, Morandini F, Brozzetti A, Falorni A, Pezzotti M (2010) Recombinant human GAD65 accumulates to high levels in transgenic tobacco plants when expressed as an enzymatically inactive mutant. Plant Biotechnol J. Mar 30.

4. Bortesi L, Rossato M, Schuster F, Raven N, Stadlmann J, Avesani L, Falorni A, Bazzoni F, Bock R, Schillberg S, Pezzotti M. (2009) Viral and murine interleukin-10 are correctly processed and retain their biological activity when produced in tobacco. *BMC Biotechnol.* Mar 19;9(1):22.
5. Ma JK, Barros E, Bock R, Christou P, Dale PJ, Dix PJ, Fischer R, Irwin J, Mahoney R, Pezzotti M, Schillberg S, Sparrow P, Stoger E, Twyman RM (2005) European Union Framework 6 Pharma-Planta Consortium. Molecular farming for new drugs and vaccines. Current perspectives on the production of pharmaceuticals in transgenic plants. *EMBO Rep.* Jul;6(7):593-9.

Progetti di ricerca finanziati sull'argomento:

- MIUR GENEFUN 180.000 €, 2 anni.
- FP6 BIOTECH Pharma-Planta. 13.500.000 €, 5 anni.
- 2002 MIUR 40.000 €, 2 anni.
- 2001 PRIN 64.000 €, 2 anni.
- 2000 CNR PROGETTO STRATEGICO 12 milioni di Lire, 1 anno.
- 1999 TELETHON 90 milioni di Lire, 2 anni.
- 1998 MIUR, PRIN 60 milioni di Lire, 2 anni.

3-Decifrazione del genoma di *Petunia hybrida*, isolamento dei geni responsabili dello sviluppo degli organi fiorali e del meccanismo molecolare dell'apertura dei fiori.

5 pubblicazioni più significative

1. Bombarely A, Moser M, Amrad A, Bao M, Bapaume L, Barry CS, Bliet M, Boersma MR, Borghi L, Bruggmann R, Bucher M, D'Agostino N, Davies K, Druege U, Dudareva N, Egea-Cortines M, Delledonne M, Fernandez-Pozo N, Franken P, Grandont L, Heslop-Harrison JS, Hintzsche J, Johns M, Koes R, Lv X, Lyons E, Malla D, Martinoia E, Mattson NS, Morel P, Mueller LA, Muhlemann J, Nouri E, Passeri V, Pezzotti M, Qi Q, Reinhardt D, Rich M, Richert-Pöggeler KR, Robbins TP, Schatz MC, Schranz ME, Schuurink RC, Schwarzacher T, Spelt K, Tang H, Urbanus SL, Vandenbussche M, Vijverberg K, Villarino GH, Warner RM, Weiss J, Yue Z, Zethof J, Quattrocchio F, Sims TL, Kuhlemeier C. (2016) Insight into the evolution of the Solanaceae from the parental genomes of *Petunia hybrida*. *Nat Plants.* May 27;2(6):16074.
2. Zenoni S, D'Agostino N, Tornielli GB, Quattrocchio F, Chiusano ML, Koes R, Zethof J, Guzzo F, Delledonne M, Frusciante L, Gerats T, Pezzotti M. (2011) Revealing impaired pathways in the an11 mutant by high-throughput characterization of *Petunia axillaris* and *Petunia inflata* transcriptomes. *Plant J.* May 30.
3. Zenoni S, Fasoli M, Tornielli GB, Dal Santo S, Sanson A, Sordo S, Citterio S, Monti F, Pezzotti M (2011) Overexpression of PhEXPA1 increases cell size, modifies cell wall polymer composition and affects the timing of axillary meristem development in *Petunia hybrida*. *New Phytol.* 2011 Apr 27.
4. Zenoni S, Reale L, Tornielli GB, Lanfaloni L, Porceddu A, Ferrarini A, Moretti C, Zamboni A, Speghini A, Ferranti F, Pezzotti M. (2004) Downregulation of the *Petunia hybrida* alpha-expansin gene PhEXP1 reduces the amount of crystalline cellulose in cell walls and leads to phenotypic changes in petal limbs. *Plant Cell.* Feb;16(2):295-308.
5. Vandenbussche M, Zethof J, Souer E, Koes R, Tornielli GB, Pezzotti M, Ferrario S, Angenent GC, Gerats T. (2003) Toward the analysis of the petunia MADS box gene family by reverse and forward transposon insertion mutagenesis approaches: B, C, and D floral organ identity functions require SEPALLATA-like MADS box genes in petunia. *Plant Cell.* Nov;15(11):2680-93.

Progetti di ricerca finanziati sull'argomento

- 1999 MIUR, PRIN 115 milioni di Lire, 2 anni.
- 1998 MIUR, PRIN 60 milioni di Lire, 2 anni.
- 1996 FP4-BIOTECH OVULEMB 150 milioni di Lire, 5 anni.2
- 2000 CNR PROGETTO STRATEGICO 12 milioni di Lire, 1 ann1

ALTRE ATTIVITA' SCIENTIFICHE

Membro Comitato Editoriale delle Riviste Scientifiche: Scientific Reports, BMC Biotechnology e OenoOne.

Revisore per le riviste:

Biotechnology Journal, Faseb Journal, FEBS letters, Gene, Journal of Biotechnology, Frontiers Journals, Journal of Cellular Physiology, Molecular Breeding, New Phytologist, Plant Biotechnology Journal, Plant Cell, Plant Molecular Biology, Plant Physiology, Sexual Plant Reproduction, The Plant Journal, Theoretical and Applied Genetics

Revisore *ad hoc* di progetti ed istituzioni di ricerca per i seguenti Organismi internazionali:

European Commission Biotechnology Programme, MURST-PRIN, BARD, FWF Austria, OMAFRA Canada, Israel Science Foundation, Foundation par la Ciencia e la Tecnologia Portugal, Scientific and Technological Cooperation in Plant Genome Research Plant KBBE, National Science Foundation, France ANR, German Federal Minister of Education and Research PTJ, Wine Australia.

ESPERIENZE MANAGERIALI

Dal 2013 al 2019

In veste di **Delegato alla ricerca**, ho coordinato l'Ufficio Ricerca dell'Università di Verona, composto da 25 dipendenti tecnici amministrativi, impegnato sugli aspetti della valutazione, progettazione, proprietà intellettuale, trasferimento tecnologico e dottorati di ricerca.

L'ufficio gestisce circa 30 milioni di euro di budget annuale e coordina le seguenti attività:

1. **Valutazione della ricerca:** rapporti con l'agenzia ANVUR, diffusione ed informazione interna dei criteri di valutazione, selezione dei prodotti della ricerca per la valutazione singola e delle strutture Dipartimentali.
2. **Progettazione:** diffusione dei bandi nazionali ed internazionali, accompagnamento e consulenza nella stesura dei progetti e rendicontazione.
3. **Promozione di Bandi Interni:** progettazione, sviluppo e realizzazione di due bandi interni ad UNIVR con cadenza annuale: Bando per la Ricerca di Base (RIBA) e Bando per l'interazione con il territorio (Joint Projects). Il Bando RIBA, del valore di 1 milione/anno finanzia 10 progetti, ognuno di 100.000 €, per svolgere esclusivamente ricerca di base (curiosity driven). Il bando Joint Projects finanzia 20 progetti/anno per un totale di 3,5 milioni di Euro, di cui 1 milione derivante da risorse interne dell'Università di Verona e 2,5 milioni da privati o associazioni senza fine di lucro.
4. **Trasferimento Tecnologico e Brevetti:** i risultati dei Joint Projects hanno portato alla nascita di 25 spin off universitari, 30 brevetti e un acceleratore per spin off informatici (Computer Science Park). Per la ricerca interna è stato realizzato il Centro delle Piattaforme Tecnologiche con 6 piattaforme (genomica, imaging, cell sorting, spettrometria, spettroscopia e computazionale) provviste di strumentazioni all'avanguardia di fruizione sia interna che per il territorio.
5. **Dottorati:** sono stati realizzati accordi con privati per il dottorato industriale e vinti bandi europei per l'internazionalizzazione dei 14 Dottorati di UNIVR.

Come delegato alla Ricerca ho redatto il **Programma di Attuazione del Piano della Ricerca** di UNIVR e collaborato con la "governance" alla definizione del **Piano Strategico di Ateneo**

In veste di **Dirigente del Centro di Ricerca ed Innovazione(CRI) della Fondazione Edmund Mach (FEM)** definisco la visione, determino la strategia per il raggiungimento dei risultati, coordino e monitoro le attività di **Ricerca di 180 ricercatori, 100 dottorandi e 100 visiting scientists** e gestisco le attività di Direzione, composto da **25 dipendenti tecnici amministrativi**, impegnato sugli aspetti della valutazione, progettazione, proprietà intellettuale, trasferimento tecnologico e dottorati di ricerca.

Le attività di ricerca e sperimentazione si sviluppano su quattro aree tematiche: **Agrosistemi e Bioeconomia; Biodiversità, Ecologia ed Ambiente, Alimenti e Nutrizione e Biologia Computazionale**. Il centro è organizzato in **21 Unità di Ricerca e 21 Piattaforme Tecnologiche**.

Il Centro Ricerca e Innovazione (CRI) è parte della Fondazione Edmund Mach, una delle principali istituzioni italiane operanti nei settori agricoltura, ambiente, alimenti.

La Fondazione ha 150 anni di storia. Fondata nel 1874 come Istituto Agrario di San Michele all'Adige, dal 2008 è organizzata in tre centri che si occupano di Ricerca e Innovazione, Istruzione e Formazione, Trasferimento Tecnologico.

Vi lavorano **700 persone**, in un campus di **14 ettari**, con **aule, serre, uffici e laboratori** dotati di strumentazioni all'avanguardia. Ad esso si aggiungono 120 ettari di terra coltivata a scopo sperimentale e agricolo, e **65 ettari di foreste**

Il Centro Ricerca e Innovazione (CRI) della Fondazione Edmund Mach con un budget di 25 milioni svolge attività di ricerca scientifica, sviluppa tecnologie e promuove innovazione nei settori

ESPERIENZA DI COLLABORAZIONE E NETWORKING CON LE INDUSTRIE

dell'agricoltura, della bioeconomia, dell'ecologia, della biodiversità, dell'ambiente e La Direzione del Centro è impegnata in una serie di iniziative strategiche finalizzate al potenziamento della sua capacità di perseguire la propria "mission", con particolare riferimento al rafforzamento dei legami con il territorio trentino, e parallelamente dell'internazionalizzazione, all'aumento della sua capacità di "fundraising" e di supporto tecnico-amministrativo ai progetti acquisiti, alle ricadute sulla società. Le sue competenze e conoscenze sono messe a disposizione del dibattito strategico, in termini di valorizzazione dei prodotti della ricerca a sostegno dello sviluppo economico del territorio, così come per la divulgazione della conoscenza.

Il laboratorio di ricerca da me coordinato presso l'**Università di Verona** ha instaurato da molti anni rapporti di collaborazione con aziende viti-vinicole internazionali e nazionali.

Ha realizzato ricerche e consulenze per conto della GALLO WINERY (Modesto, California, USA), UNIONE ITALIANA VINI, GRUPPO ITALIANO VINI, MASI AGRICOLA, ALLEGRINI, PASQUA, SARTORI, GRUPPO COLLIS, BOLLA, TEDESCHI, CANTINA DI NEGRAR, CONSORZIO DEL SOAVE, CONSORZIO DELLA VALPOLICELLA, BRIGALDARA, SPERI, TENUTA SANT'ANTONIO, TOMMASI, CANTINE SETTESOLI.

2013-2019

Nell'ambito del programma HORIZON 2020, ho collaborato, in qualità di Delegato alla Ricerca di UNIVR, alla definizione delle traiettorie di ricerca della RIS 3 della Regione Veneto, portando alla costituzione delle **Reti Regionali Innovative** nei Settori previsti dalle Smart Specializations: Smart Agrifood, Creative Industries, Sustainable Living e Smart Manufacturing.

La Strategia di Ricerca e Innovazione per la Specializzazione Intelligente del Veneto è stata individuata seguendo la metodologia proposta dalla "Guide to Research and Innovation Strategies for Smart Specialisations (RIS3) che prevedeva un percorso suddiviso in sei fasi: 1) Analisi del contesto regionale e del potenziale per l'innovazione; 2) Individuazione di una struttura di governance efficace ed inclusiva; 3) Elaborazione di una vision condivisa in relazione al futuro della regione; 4) Individuazione delle priorità strategiche; 5) Definizione di un policy-mix; 6) Formulazione di un sistema di monitoraggio e valutazione. Attraverso la metodologia illustrata si sono costituite 18 Reti Innovative Regionali a partecipazione pubblica (Università e Centri di Ricerca del Veneto) e privata (circa 1000 società private) che hanno realizzato progetti di ricerca di base e applicata per 140 milioni di euro, con un cofinanziamento europeo del 50%.

2021-2023

Il **Centro di Ricerca ed Innovazione di FEM** ha stabilito una fitta rete di collaborazioni di ricerca (nazionali, europee e internazionali) per riuscire ad operare di concerto e in maniera sinergica. Sono oltre 570 gli enti e le aziende che collaborano a diverso titolo con il Centro.

PREMI

"Premio Antico Fattore 2011" dell'Accademia dei Georgofili.

BREVETTI

2008

Avesani L., Falorni A., Morandini F. e Pezzotti M. (2008) In planta expression method and the relative vectors for human glutamic acid decarboxylase (GAD65).

SPIN-OFF

2020

2015

2009-214

EDIVITE Spin-Off dell'Università di Verona: Fondatore

DIAMANTE Spin-Off dell'Università di Verona: Fondatore

OFFICINA BIOTECNOLOGICA, Spin-Off dell'Università di Verona: Fondatore e Responsabile Scientifico

RELAZIONI SU INVITO IN CONFERENZE INTERNAZIONALI

2019

2018

COST ACTION 17111 INTEGRAPPE, Chania, 25 March 2019

2018 International Plant Molecular Biology France Montpellier, 6 August 2018
2017 International Conference "Grapevine Breeding and Genetics", Bordeaux, 17 July 2018.
2016 The future of Medicine, Genova, 29 June 2017.
2015 Symposium on Horticulture in Europe, Chania, Greece 17 October 2016
2015 Australia-Italia Grape and Wine Symposium, Adelaide, 7 December 2015
2015 Scientific Symposium on Grape and Wheat Research, Canberra, Australia, 3-4 December 2015.
2015 IX IVAS, Trento 17 July 2015.
2014 IGGP Bordeaux, 11 February 2015.
2014 XI International Conference on Grapevine Breeding and Genetics Beijing, 29 July, 2014.
2014 Postharvest Unlimited Cyprus, 11 June 2014.
2014 Macrowine 2014, Stellenbosch, 9 September 2014.
2014 GRacious Symposium, Boger, Israel, October 30, 2014.
2013 Plant Gene Discovery & "Omics" Technologies, Vienna, February 17, 2014
2013 COST ACTION 1106 Quality Fruit, Chania, 22 September 2013.
2013 Molecular Biology and Genomics of Fruit Trees, Wuhan Agricultural University, China, 19 October 2013.
2013 XXI PAG, San Diego, CA, 15 January 2013.
2012 International Conference Grapevine Physiology and Biotechnology, La Serena, Chile, 22 April 2013.
2012 Omics and Biotechnology of Fruit Crops, Nanjing Agricultural University, China, 28 October 2012.
2012 GRNC, University California Davis, 11 January 2012.
2012 XX PAG, International Grape Genome Project, San Diego, CA, 15 January 2012.
2012 EDF Interlaken, 20 January 2012.
2011 Macrowine, Bordeaux, 20 June 2012.
2011 VINELINK, Paris 21 October, 2011.
2011 Vinexpo, Bordeaux, Seminario Masi, 20 June 2011.
2011 Plant-Based Vaccine and Antibody, Oporto 8-10 June 2011.
2011 Grape Research Coordination Network III, Lake Tahoe, 2-5 June 2011.
2011 XIX PAG, International Grape Genome Project, San Diego, CA, 16 January 2011.
2011 XIX PAG Ornamentals, San Diego, 15 January 2011.
2011 Biotecnologia Habana, Havana, Cuba, 1 December 2011.
2011 VINELINK, Paris, 21 October 2011.
2011 GRCN, Corvallis, 15 July 2011.
2010 Vinexpo, Bordeaux, 20 June 2011.
2009 14th AWITC Adelaide, 6 July 2010.
2009 GRCN, Lake Tahoe, 16 May 2009.
2009 OIV2009, Zagreb, 29 June 2009.

ORGANIZZAZIONE di CONFERENZE NAZIONALI E INTERNAZIONALI

2020
2019 COST 117111 INTEGRAPPE 2020, Ljubljana (Slovenia)
2018 LXIII Congresso annuale della Società Italiana di Genetica Agraria, Napoli
2016 COST 117111 INTEGRAPPE 2019, Chania (Greece)
2016 LXII Congresso annuale della Società Italiana di Genetica Agraria, Verona
2016 X International Symposium on Grapevine Physiology and Biotechnology Verona
2015 COST Action Quality Fruit 2016, Porto (Portugal)
2015 COST Action Quality Fruit 2015, Verona (Italy)
2014 COST Action Quality Fruit 2015 Lisbona (Portugal)
2013 COST Action Quality Fruit Chania (GR)
2012 COST Action Quality Fruit Chania (GR)
2011 COST Action Quality Fruit Chania (GR)
2010 Plant Based Vaccine and Antibody, Verona (Italy)
2009 The Genome and Transcriptome of the grapevine cv. Corvina, Verona (Italy)
2007 Plant Based Vaccine and Antibody, Verona (Italy)
2006 Plant Based Vaccine and Antibody, Verona (Italy)
2006 VIGNA (Vitis Genome Analysis) Verona (Italy)
2005 Pharma-Planta Verona (Italy)
2003 Pharma-Planta Verona (Italy)
2002 XLVII Congresso annuale della Società Italiana di Genetica Agraria Verona (Italy)
1996 V World Petunia Days Verona (Italy)
XL Congresso annuale della Società Italiana di Genetica Agraria, Perugia (Italy)

PROGETTI FINANZIATI

Dal 1996 ad oggi

2019	
2018	PRIN 2017, 800.000 €, 3 anni.
2017	RIS3 REGIONE VENETO INNOVAA 400.000 €, 3 anni.
2017	COST ACTION 17111 INTEGRAPPE 800.000 €, 4 anni.
2013	H2020-MSCA-COFUND- e REGIONE VENETO 2016 INVITE 2.200.000 €, 3 anni.
2012	INNOVINE FP7 8.500.000 €, 4 anni.
2012	GALLO WINERY 500.000 € 3 anni.
2010	MIPAF VIGNETO 1.600.000 €, 2 anni.
2009	JOINT PROJECT University of Verona – MASI Agricola. 80.000 €, 2 anni.
2008	REGIONE VENETO VALVIVE 1.000.000 €, 3 anni.
2006	FONDAZIONE CARIVERONA 1.800.000 €, 5 anni.
2006	FONDAZIONE CARIVERONA 450. 000 €, 5 anni
2005	MIPAF VIGNA 6.500.000 €, 3 anni.
2005	MIUR PRIN 124.000 €, 2 anni.
2005	REGIONE VENETO: BACCA. 1.000.000 €, 2 anni.
2003	FONDAZIONE CARIVERONA 280.000 €, 2 anni.
2001	MIUR GENEFUN 180.000 €, 2 anni.
2002	FP6 BIOTECH Pharma-Planta. 13.500.000 €, 5 anni.
2001	2002 MIUR 40.000 €, 2 anni.
2000	2001 PRIN 64.000 €, 2 anni.
1999	2000 CNR PROGETTO STRATEGICO 12 milioni di Lire,1 anno.
1999	1999 TELETHON 90 milioni di Lire, 2 anni.
1998	1999 MIUR, PRIN 115 milioni di Lire, 2 anni.
1996	1998 MIUR, PRIN 60 milioni di Lire , 2 anni.
	1996 FP4-BIOTECH OVULEMB 150 milioni di Lire, 5 anni.
2023	
	PNNR CN AGRITECH 2,3 milioni £, 3 anni
	PNNR CN FUTURE BIODIVERSITY 2 milioni £, 3 anni
	PNNR Partenariato ON FOOD 3.8 milioni £, 3 anni
	PNNR Ecosistemi dell'Innovazione 1 milione £, 3 anni

PUBBLICAZIONI

1. D'Inca E, Cazzaniga S, Foresti C, Vitulo N, Bertini E, Galli M, Gallavotti A, Pezzotti M, Torielli GB, Zenoni S. (2021) VviNAC33 promotes organ de-greening and represses vegetative growth during the vegetative-to-mature phase transition in grapevine. *New Phytologist* accepted
2. Zampieri R, Brozzetti A, Pericolini E, Bartoloni E, Gabrielli E, Roselletti E, Lomonosoff G, Meshcheriakova Y, Santi L, Imperatori F, Merlin M, Tinazzi E, Dotta F, Nigi L, Sebastiani G, Pezzotti M, Falorni A, Avesani L (2020) Prevention and treatment of autoimmune diseases with plant virus nanoparticles. *Sciences Advances Sci Adv.* 6:6(19)
3. Dal Santo S, Tucker MR, Tan HT, Burbidge CA, Fasoli M, Böttcher C, Boss PK, Pezzotti M, Davies C. (2020) Auxin treatment of grapevine (*Vitis vinifera* L.) berries delays ripening onset by inhibiting cell expansion *Plant Mol Biol.* May;103(1-2):91-111.
4. Pagliarani C, Boccacci P, Chitarra W, Cosentino E, Sandri M, Perrone I, Mori A, Cuzzo D, Nerva L, Rossato M, Zuccolotto P, Pezzotti M, Delledonne M, Mannini F, Gribaudo I, Gambino G. (2019) Distinct Metabolic Signals Underlie Clone by Environment Interplay in "Nebbiolo" Grapes Over Ripening. *Front Plant Sci.* Dec 4;10:1575.
5. Santoni M, Ciardiello MA, Zampieri R, Pezzotti M, Giangrieco I, Rifaiani C, Ciancamerla M, Mari A, Avesani L. (2019) Plant-Made Bet v 1 for Molecular Diagnosis. *Front Plant Sci.* 2019 Oct 10;10:1273.
6. Bertini E, Torielli GB, Pezzotti M, Zenoni S (2019) Regeneration of plants from embryogenetic callus-derived protoplasts of Garganega and Sangiovese grapevine (*Vitis vinifera* L.) cultivars. *Plant Cell Tiss Org Culture* 138(2):239-246.
7. Arcalis E, Ibl V, Hilscher J, Rademacher T, Avesani L, Morandini F, Bortesi L, Pezzotti M, Vitale A, Pum D, De Meyer T, Depicker A, Stoger E (2019) Russell-like bodies in plant seeds share common features with prolamin bodies and occur upon recombinant protein production. *Front Plant Sci* 10:777. doi: 10.3389/fpls.2019.00777.
8. Amato A, Cavallini E, Walker AR, Pezzotti M, Bliet M, Quattrocchio F, Koes R, Ruperti B, Bertini E, Zenoni S, Torielli GB (2019) The MYB5-driven MBW complex recruits a WRKY factor to enhance the expression of targets involved in vacuolar hyper-acidification and trafficking in grapevine. *Plant J* 99(6):1220-1241. doi: 10.1111/tj.14419.
9. Magris G, Di Gaspero G, Marroni F, Zenoni S, Torielli GB, Celii M, De Paoli E, Pezzotti M, Conte F, Paci P, Morgante M (2019). Genetic, epigenetic and genomic effects on variation of gene expression among grape varieties. *Plant J* 99(5):895-909.
10. Ambrosino L, Ruggieri V, Bostan H, Miralto M, Vitulo N, Zouine M, Barone A, Bouzayen M, Frusciante L, Pezzotti M, Valle G, Chiusano ML. (2018) Multilevel comparative bioinformatics to investigate evolutionary relationships and specificities in gene annotations: an example for tomato and grapevine. *BMC Bioinformatics.* 2018 Nov 30;19(Suppl 15):435.
11. Fasoli M, Richter CL, Zenoni S, Bertini E, Vitulo N, Dal Santo S, Dokoozlian N, Pezzotti M, Torielli GB. (2018) Timing and order of the molecular events marking the onset of berry ripening in grapevine. *Plant Physiol.* Sep 17. pii: pp.00559.2018.
12. Bertini E, Merlin M, Gecchele E, Puggia A, Brozzetti A, Commisso M, Falorni A, Bini V, Klymyuk V, Pezzotti M, Avesani L. (2018) Design of a Type-1 Diabetes Vaccine Candidate Using Edible Plants Expressing a Major Autoantigen. *Front Plant Sci.* 2018 May 1;9:572.
13. Dal Santo S, Zenoni S, Sandri M, De Lorenzis G, Magris G, De Paoli E, Di Gaspero G, Del Fabbro C, Morgante M, Brancadoro L, Grossi D, Fasoli M, Zuccolotto P, Torielli GB, Pezzotti M. (2018) Grapevine field experiments reveal the contribution of genotype, the influence of environment and the effect of their interaction (GxE) on berry transcriptome *Plant J.* Jan 30.
14. Gambino G, Dal Molin A, Boccacci P, Minio A, Chitarra W, Avanzato CG, Tononi P, Perrone I, Raimondi S, Schneider A, Pezzotti M, Mannini F, Gribaudo I, Delledonne M. (2017) Whole-genome sequencing and SNV genotyping of 'Nebbiolo' (*Vitis vinifera* L.) clones. *Sci Rep.* Dec 11;7(1):17294.
15. Mercenaro L, Nieddu G, Porceddu A, Pezzotti M, Camiolo S. (2017) Sequence Polymorphisms and Structural Variations among Four Grapevine (*Vitis vinifera* L.) Cultivars Representing Sardinian Agriculture. *Front Plant Sci* Jul 20;8:1279
16. Fortes AM, Granell A, Pezzotti M, Bouzayen M. (2017) Editorial: Molecular and Metabolic Mechanisms Associated with Fleshy Fruit Quality. *Front Plant Sci* Jul 13;8:1236.
17. Massonnet M, Fasoli M, Torielli GB, Altieri M, Sandri M, Zuccolotto P, Paci P, Gardiman M, Zenoni S, Pezzotti M. (2017) Ripening Transcriptomic Program in Red and White Grapevine Varieties Correlates with Berry Skin Anthocyanin Accumulation. *Plant Physiol* Aug;174(4):2376-2396.
18. Pii Y, Zamboni A, Dal Santo S, Pezzotti M, Varanini Z, Pandolfini T. (2017) Prospect on Ionomeric Signatures for the Classification of Grapevine Berries According to Their Geographical Origin. *Front Plant Sci.* Apr 24;8:640.
19. Adam-Blondon AF, Alaux M, Pommier C, Cantu D, Cheng ZM, Cramer GR, Davies C, Delrot S, Deluc L, Di Gaspero G, Grimplet J, Fennell A, Londo JP, Kersey P, Mattivi F, Naithani S, Neveu

- P, Nikolski M, Pezzotti M, Reisch BI, Töpfer R, Vivier MA, Ware D, Quesneville (2016) H. Towards an open grapevine information system. *Hortic Res.* Nov 23;3:16056
20. Dal Santo S, Commisso M, D'Inca E, Anesi A, Stocchero M, Zenoni S, Ceoldo S, Tornielli GB, Pezzotti M, Guzzo F. (2016) The Terroir Concept Interpreted through Grape Berry Metabolomics and Transcriptomics. *J Vis Exp.* Oct 5;(116).
 21. Dal Santo S, Palliotti A, Zenoni S, Tornielli GB, Fasoli M, Paci P, Tombesi S, Frioni T, Silvestroni O, Bellincontro A, d'Onofrio C, Matarese F, Gatti M, Poni S, Pezzotti M. (2016) Distinct transcriptome responses to water limitation in isohydric and anisohydric grapevine cultivars. *BMC Genomics.* Oct 20;17(1):815.
 22. Paim Pinto DL, Brancadoro L, Dal Santo S, De Lorenzis G, Pezzotti M, Meyers BC, Pè ME, Mica E. (2016) The Influence of Genotype and Environment on Small RNA Profiles in Grapevine Berry. *Front Plant Sci.* Oct 5;7:1459.
 23. Zenoni S, Fasoli M, Guzzo F, Dal Santo S, Amato A, Anesi A, Commisso M, Herderich M, Ceoldo S, Avesani L, Pezzotti M, Tornielli GB. (2016) Disclosing the Molecular Basis of the Postharvest Life of Berry in Different Grapevine Genotypes. *Plant Physiol.* Nov;172(3):1821-1843.
 24. da Silva DC, da Silveira Falavigna V, Fasoli M, Buffon V, Porto DD, Pappas GJ Jr, Pezzotti M, Pasquali G, Revers LF. (2016) Transcriptome analyses of the Dof-like gene family in grapevine reveal its involvement in berry, flower and seed development. *Hortic Res* Aug 31;3:16042
 25. Dal Santo S, Fasoli M, Negri S, D'Inca E, Vicenzi N, Guzzo F, Tornielli GB, Pezzotti M, Zenoni S. (2016) Plasticity of the Berry Ripening Program in a White Grape Variety. *Front Plant Sci.* Jul 12;7:970. doi: 10.3389/fpls.2016.00970.
 26. Bombarely A, Moser M, Amrad A, Bao M, Bapaume L, Barry CS, Bliet M, Boersma MR, Borghi L, Bruggmann R, Bucher M, D'Agostino N, Davies K, Druege U, Dudareva N, Egea-Cortines M, Delledonne M, Fernandez-Pozo N, Franken P, Grandont L, Heslop-Harrison JS, Hintzsche J, Johns M, Koes R, Lv X, Lyons E, Malla D, Martinoia E, Mattson NS, Morel P, Mueller LA, Muhlemann J, Nouri E, Passeri V, Pezzotti M, Qi Q, Reinhardt D, Rich M, Richert-Pöggeler KR, Robbins TP, Schatz MC, Schranz ME, Schuurink RC, Schwarzacher T, Spelt K, Tang H, Urbanus SL, Vandenbussche M, Vijverberg K, Villarino GH, Warner RM, Weiss J, Yue Z, Zethof J, Quattrocchio F, Sims TL, Kuhlemeier C. (2016) Insight into the evolution of the Solanaceae from the parental genomes of *Petunia hybrida*. *nNat Plants.* May 27;2(6):16074.
 27. Fasoli M, Dell'Anna R, Dal Santo S, Balestrini R, Sanson A, Pezzotti M, Monti F, Zenoni S. (2016) Pectins, Hemicelluloses and Celluloses Show Specific Dynamics in the Internal and External Surfaces of Grape Berry Skin During Ripening. *Plant Cell Physiol.* Jun;57(6):1332-49.
 28. Merlin M, Pezzotti M, Avesani L. (2017) Edible plants for oral delivery of biopharmaceuticals. *Br J Clin Pharmacol.* Jan;83(1):71-81.
 29. Merlin M, Gecchele E, Arcalis E, Remelli S, Brozzetti A, Pezzotti M, Avesani L. (2016) Enhanced GAD65 production in plants using the MagnICON transient expression system: Optimization of upstream production and downstream processing. *Biotechnol J.* Mar;11(4):542-53.
 30. Tinazzi E, Merlin M, Bason C, Beri R, Zampieri R, Lico C, Bartoloni E, Puccetti A, Lunardi C, Pezzotti M, Avesani L. (2015) Plant-Derived Chimeric Virus Particles for the Diagnosis of Primary Sjögren Syndrome. *Front Plant Sci.* 2015 Dec 1;6:1080.
 31. Pinnola A, Ghin L, Gecchele E, Merlin M, Alboresi A, Avesani L, Pezzotti M, Capaldi S, Cazzaniga S, Bassi R. (2015) Heterologous Expression of Moss Light-harvesting Complex Stress-related 1 (LHCSR1), the Chlorophyll a-Xanthophyll Pigment-protein Complex Catalyzing Non-photochemical Quenching, in *Nicotiana sp.* *J Biol Chem.* Oct 2;290(40):24340-54
 32. Anesi A, Stocchero M, Dal Santo S, Commisso M, Zenoni S, Ceoldo S, Tornielli GB, Siebert TE, Herderich M, Pezzotti M, Guzzo F. (2015) Towards a scientific interpretation of the terroir concept: plasticity of the grape berry metabolome. *BMC Plant Biol.* Aug 7;15:191.
 33. Belli Kullán J, Lopes Paim Pinto D, Bertolini E, Fasoli M, Zenoni S, Tornielli GB, Pezzotti M, Meyers BC, Farina L, Pè ME, Mica E. (2015) miRVine: a microRNA expression atlas of grapevine based on small RNA sequencing. *BMC Genomics.* May 16;16:393.
 34. Gecchele E, Merlin M, Brozzetti A, Falorni A, Pezzotti M, Avesani L. A comparative analysis of recombinant protein expression in different biofactories: bacteria, insect cells and plant systems. (2015) *J Vis Exp.* Mar 23;(97).
 35. Cramer GR, Ghan R, Schlauch KA, Tillett RL, Heymann H, Ferrarini A, Delledonne M, Zenoni S, Fasoli M, Pezzotti M. Transcriptomic analysis of the late stages of grapevine (*Vitis vinifera* cv. Cabernet Sauvignon) berry ripening reveals significant induction of ethylene signaling and flavor pathways in the skin. *BMC Plant Biol.* 2014 Dec 19;14(1):370.
 36. Grimplet J, Adam-Blondon AF, Bert PF, Bitz O, Cantu D, Davies C, Delrot S, Pezzotti M, Rombauts S, Cramer GR. (2014) The grapevine gene nomenclature system. *BMC Genomics.* 2014 Dec 6;15:1077.
 37. Palumbo MC, Zenoni S, Fasoli M, Massonnet M, Farina L, Castiglione F, Pezzotti M, Paci P. (2014) Integrated Network Analysis Identifies Fight-Club Nodes as a Class of Hubs

- Encompassing Key Putative Switch Genes That Induce Major Transcriptome Reprogramming during Grapevine Development. *Plant Cell*. Dec;26(12):4617-35.
38. G. Wang, A. Lovato, Y.H. Liang, M. Wang, F. Chen, G.B. Tornielli, A. Polverari, M. Pezzotti and Z.M. Cheng (2014) Validation by isolation and expression analyses of the mitogen-activated protein kinase gene family in the grapevine (*Vitis vinifera* L.) *Australian Journal of Grape and Wine Research* Volume 20, Issue 2, June 2014 Pages: 255–262.
 39. Giacosa A, Barale R, Bavaresco L, Faliva MA, Gerbi V, La Vecchia C, Negri E, Opizzi A, Perna S, Pezzotti M, Rondanelli M (2014) MEDITERRANEAN WAY OF DRINKING AND LONGEVITY. *Crit Rev Food Sci Nutr*. Sep 10.
 40. Degu A, Hochberg U, Sikron N, Venturini L, Buson G, Ghan R, Plaschkes I, Batushansky A, Chalifa-Caspi V, Mattivi F, Delledonne M, Pezzotti M, Rachmilevitch S, Cramer GR, Fait A (2014) Metabolite and transcript profiling of berry skin during fruit development elucidates differential regulation between Cabernet Sauvignon and Shiraz cultivars at branching points in the polyphenol pathway. *BMC Plant Biol*. Jul 26;14:188.
 41. Gecchele E, Schillberg S, Merlin M, Pezzotti M, Avesani L (2014) A downstream process allowing the efficient isolation of a recombinant amphiphilic protein from tobacco leaves. *J Chromatogr B Analyt Technol Biomed Life Sci*. Jun 1;960:34-42.
 42. Merlin M, Gecchele E, Capaldi S, Pezzotti M, Avesani L. (2014) Comparative evaluation of recombinant protein production in different biofactories: the green perspective. *Biomed Res Int*. 2014;:136419.
 43. Liu J, Chen N, Chen F, Cai B, Dal Santo S, Tornielli GB, Pezzotti M, Cheng ZM. (2014). Genome-wide analysis and expression profile of the bZIP transcription factor gene family in grapevine (*Vitis vinifera*). *BMC Genomics*. Apr 13;15:281.
 44. Chen F, Fasoli M, Tornielli GB, Dal Santo S, Pezzotti M, Zhang L, Cai B, Cheng ZM. (2013) The evolutionary history and diverse physiological roles of the grapevine calcium-dependent protein kinase gene family. *PLoS One*. Dec 6;8(12):e80818.
 45. Da Silva C, Zamperin G, Ferrarini A, Minio A, Dal Molin A, Venturini L, Buson G, Tononi P, Avanzato C, Zago E, Boido E, Dellacassa E, Gaggero C, Pezzotti M, Carrau F, Delledonne M. (2013) The high polyphenol content of grapevine cultivar tannat berries is conferred primarily by genes that are not shared with the reference genome. *Plant Cell*. Dec;25(12):4777-88.
 46. Avesani L, Merlin M, Gecchele E, Capaldi S, Brozzetti A, Falorni A, Pezzotti M. (2013) Comparative analysis of different biofactories for the production of a major diabetes autoantigen. *Transgenic Res*. Oct 20
 47. Dal Santo S, Tornielli GB, Zenoni S, Fasoli M, Farina L, Anesi A, Guzzo F, Delledonne M, Pezzotti M. (2013) The plasticity of the grapevine berry transcriptome. *Genome Biol*. Jun 10;14(6):r54
 48. Dal Santo S, Vannozzi A, Tornielli G B, Fasoli M, Pezzotti M, Zenoni S (2013) Genome-wide Analysis of the Expansin Gene Superfamily Reveals Grapevine-specific Structural and Functional Characteristics. *PLoS One*. 2013 Apr 16;8(4):e62206.
 49. Zoccatelli G, Zenoni S, Savoi S, Dal Santo S, Tononi P, Zandonà V, Dal Cin A, Guantieri V, Pezzotti M, Tornielli G B (2013) Skin pectin metabolism during the post-harvest dehydration of berries from three distinct grapevine cultivars. *Australian Journal of Grape and Wine Research* June 2013 19:2.171-179
 50. Pastore C, Zenoni S, Fasoli M, Pezzotti M, Tornielli G B, Filippetti I (2013) Selective defoliation affects plant growth, fruit transcriptional ripening program and flavonoid metabolism in grapevine *BMC Plant Biol*. 2013 Feb 22;13:30
 51. Venturini L, Ferrarini A, Zenoni S, Tornielli GB, Fasoli M, Santo SD, Minio A, Buson G, Tononi P, Zago ED, Zamperin G, Bellin D, Pezzotti M, Delledonne M. (2013) De novo transcriptome characterization of *Vitis vinifera* cv. Corvina unveils varietal diversity. *BMC Genomics*. 2013 Jan 18;14:41.
 52. Bicego M, Lovato P, Perina A, Fasoli M, Delledonne M, Pezzotti M, Polverari A, Murino V. (2012) Investigating Topic Models' Capabilities in Expression Microarray Data Classification. *IEEE/ACM Trans Comput Biol Bioinform*. Sep 17.
 53. Fasoli M, Dal Santo S, Zenoni S, Tornielli GB, Farina L, Zmboni A, Porceddu A, Venturini L, Bicego M, Murino V, Ferrarini A, Delledonne M, Pezzotti M (2012) The grapevine expression atlas reveals a deep transcriptome shift driving the entire plant into a maturation program. *Plant Cell*. 2012 Sep;24(9):3489-505.
 54. Gambino G, Cuozzo D, Fasoli M, Pagliarani C, Vitali M, Boccacci P, Pezzotti M, Mannini F (2012) Co-evolution between Grapevine rupestris stem pitting-associated virus and *Vitis vinifera* L. induces the decrease of defence responses and physiological performances associated to an increase in the transcription of photosynthesis-related genes *J Exp Bot*. 2012 Oct;63(16):5919-33.

55. Bortesi L, Rademacher T, Schiermeyer A, Schuster F, Pezzotti M, Schillberg S. (2012) Development of an optimized tetracycline-inducible expression system to increase the accumulation of interleukin-10 in tobacco BY-2 suspension cells. *BMC Biotechnol.* Jul 11;12:40.
56. Giacosa A, Barale R, Bavaresco L, Gatenby P, Gerbi V, Janssens J, Johnston B, Kas K, La Vecchia C, Mainguet P, Morazzoni P, Negri E, Pelucchi C, Pezzotti M, Rondanelli M. (2012) Cancer prevention in Europe: the Mediterranean diet as a protective choice. *Eur J Cancer Prev.* 2012 May 24.
57. Grimplet J, Van Hemert J, Carbonell-Bejerano P, Díaz-Riquelme J, Dickerson J, Fennell A, Pezzotti M, Martínez-Zapater JM (2012) Comparative analysis of grapevine whole-genome gene predictions, functional annotation, categorization and integration of the predicted gene sequences *BMC Res Notes.* May 3;5(1):213.
58. Zamboni A, Zanin L, Tomasi N, Pezzotti M, Pinton R, Varanini Z, Cesco S (2012) Genome-wide microarray analysis of tomato roots showed defined responses to iron deficiency. *BMC Genomics.* Mar 20;13:101.
59. Lico C, Santi L, Twyman RM, Pezzotti M, Avesani L (2012). The use of plants for the production of therapeutic human peptides. *Plant Cell Rep.* Mar;31(3):439-51.
60. Pastore C, Zenoni S, Torielli GB, Allegro G, Dal Santo S, Valentini G, Intrieri C, Pezzotti M, Filippetti I. (2011) Increasing the source/sink ratio in *Vitis vinifera* (cv Sangiovese) induces extensive transcriptome reprogramming and modifies berry ripening. *BMC Genomics.* Dec 23;12(1):631.
61. Dal Santo S, Fasoli M, Cavallini E, Torielli GB, Pezzotti M, Zenoni S. (2011) PhEXPA1, a *Petunia hybrida* expansin, is involved in cell wall metabolism and in plant architecture specification. *Plant Signal Behav.* Dec 1;6(12).
62. Cramer GR, Urano K, Delrot S, Pezzotti M, Shinozaki K. (2011) Effects of abiotic stress on plants: a systems biology perspective. *BMC Plant Biol.* Nov 17;11(1):163.
63. Giacosa A, Adam-Blondon AF, Baer-Sinnott S, Barale R, Bavaresco L, Di Gaspero G, Dugo L, Curtis Ellison R, Gerbi V, Gifford D, Janssens J, La Vecchia C, Negri E, Pezzotti M, Santi L, Santi L, Rondanelli M. (2011) Alcohol and wine in relation to cancer and other diseases. *Eur J Cancer Prev.* 2012 Jan;21(1):103-108.
64. Bitta C, Zenoni S, Vriezen W, Mariani C, Pezzotti M, Gerats T (2011) Temperature stress differentially modulates transcription in meiotic anthers of heat-tolerant and heat-sensitive tomato plants. *BMC Genomics,* 12:384.
65. Galla G, Zenoni S, Marconi G, Marino G, Botton A, Pinosa F, Citterio S, Ruperti B, Palme K, Albertini E, Pezzotti M, Mau M, Sharbel TF, De Storme N, Geelen D, Barcaccia G. (2011) Sporophytic and gametophytic functions of the cell cycle-associated *Mob1* gene in *Arabidopsis thaliana* L. *Gene.* May 27.
66. Zenoni S, D'Agostino N, Torielli GB, Quattrocchio F, Chiusano ML, Koes R, Zethof J, Guzzo F, Delledonne M, Frusciante L, Gerats T, Pezzotti M. (2011) Revealing impaired pathways in the an11 mutant by high-throughput characterization of *Petunia axillaris* and *Petunia inflata* transcriptomes. *Plant J.* May 30.
67. Morandini F, Avesani L, Bortesi L, Van Droogenbroeck B, De Wilde K, Arcalis E, Bazzoni F, Santi L, Brozzetti A, Falorni A, Stoger E, Depicker A, Pezzotti M (2011) Non-food/feed seeds as biofactories for the high yield production of recombinant pharmaceuticals. *Plant Biotechnol J.* 2011 Apr 11.
68. Zenoni S, Fasoli M, Torielli GB, Dal Santo S, Sanson A, Sordo S, Citterio S, Monti F, Pezzotti M (2011) Overexpression of PhEXPA1 increases cell size, modifies cell wall polymer composition and affects the timing of axillary meristem development in *Petunia hybrida*. *New Phytol.* 2011 Apr 27.
69. Toffali K, Zamboni A, Anesi A, Stocchero M, Pezzotti M, Levi M, Guzzo F (2011) Novel aspects of grape berry ripening and post-harvest withering revealed by untargeted LC-ESI-MS metabolomics analysis. *Metabolomics* 7:424–436
70. Licausi F, Giorgi FM, Zenoni S, Osti F, Pezzotti M, Perata P. (2010) Genomic and transcriptomic analysis of the AP2/ERF superfamily in *Vitis vinifera*. *BMC Genomics.* 2010 Dec 20;11:719.
71. Di Carli M, Zamboni A, Pè ME, Pezzotti M, Lilley KS, Benvenuto E, Desiderio A (2010) Two-Dimensional Differential in Gel Electrophoresis (2D-DIGE) Analysis of Grape Berry Proteome during Postharvest Withering. *Proteome Res.* Dec 1.
72. Zamboni A, Di Carli M, Guzzo F, Stocchero M, Zenoni S, Ferrarini A, Toffali K, Desiderio A, Lilley K S, Pè M E, Benvenuto E, Delledonne M, Pezzotti M (2010) Identification of putative stage-specific grapevine berry biomarkers and omics data integration into networks *Plant Physiol.* Nov;154(3):1439-59.
73. Di Matteo A, Sacco A, Anacleria M, Pezzotti M, Delledonne M, Ferrarini A, Frusciante L, Barone A (2010) Ascorbic acid content in tomato fruit is associated with genes involved in pectin degradation. *BMC Plant Biol.* 2010 Aug 6;10:163.

74. Cipriani G, Spadotto G, Jurman I, Di Gaspero G, Crespan M, Vignani R, Morgante M, Pezzotti M, Pe M E, Testolin R (2010) The SSR-based profile of 1004 grapevine accessions reveals large admixture among ancient and modern varieties of different geographic origin. *Theor Appl Genet.* 2010 Aug 6.
75. Avesani L, Bortesi L, Santi L, Falorni A, Pezzotti M (2010) Plant-made pharmaceuticals for the prevention and treatment of autoimmune diseases: where are we? Expert review of vaccine *Expert Rev Vaccines.* Aug;9(8):957-69.
76. Avesani L, Vitale A, Pedrazzini E, Devirgilio M, Pompa A, Barbante A, Gecchele E, Dominici P, Morandini F, Brozzetti A, Falorni A, Pezzotti M (2010) Recombinant human GAD65 accumulates to high levels in transgenic tobacco plants when expressed as an enzymatically inactive mutant. *Plant Biotechnol J.* Mar 30.
77. Polesani M, Bortesi L, Ferrarini A, Zamboni A, Fasoli M, Zadra C, Lovato A, Pezzotti M, Delledonne M, Polverari A. (2010) General and species-specific transcriptional responses to downy mildew infection in a susceptible (*Vitis vinifera*) and a resistant (*V. riparia*) grapevine species. *BMC Genomics.* Feb 18;11(1):117.
78. Zenoni S, Ferrarini A, Giacomelli E, Xumerle L, Fasoli M, Malerba G, Bellin D, Pezzotti M, Delledonne M (2010) Characterization of transcriptional complexity during berry development in *Vitis vinifera* using RNA-Seq. *Plant Physiol.* Apr;152(4):1787-95.
79. Mica E, Piccolo V, Delledonne M, Ferrarini A, Pezzotti M, Casati C, Del Fabbro Cristian, Valle G, Policriti A, Morgante M, Pesole G, Pè M.E, Horner D.S. (2009) High throughput approaches reveal splicing of primary microRNA transcripts and tissue specific expression of mature microRNAs in *Vitis vinifera*. *BMC Genomics* Nov 25;10(1):558.
80. Bortesi L, Rossato M, Schuster F, Raven N, Stadlmann J, Avesani L, Falorni A, Bazzoni F, Bock R, Schillberg S, Pezzotti M. (2009) Viral and murine interleukin-10 are correctly processed and retain their biological activity when produced in tobacco. *BMC Biotechnol.* Mar 19;9(1):22.
81. Frutos R, Denise H, Vivares C, Neuhaus JM, Vitale S, Pedrazzini E, Ma J, Dix P, Gray J, Pezzotti M, Conrad U, Robinson D. (2008) Pharmaceutical proteins in plants. *Ann N Y Acad Sci.* Dec;1149:275-80.
82. Zamboni A, Minoia L, Ferrarini A, Torielli GB, Zago E, Delledonne M, Pezzotti M. (2008) Molecular analysis of post-harvest withering in grape by AFLP transcriptional profiling. *J Exp Bot.;* 59(15):4145-59.
83. Polesani M, Desario F, Ferrarini A, Zamboni A, Pezzotti M, Kortekamp A, Polverari A. (2008) cDNA-AFLP analysis of plant and pathogen genes expressed in grapevine infected with *Plasmopara viticola*. *BMC Genomics.* Mar 26;9:142.
84. Jaillon O, Aury JM, Noel B, Policriti A, Clepet C, Casagrande A, Choisne N, Aubourg S, Vitulo N, Jubin C, Vezzi A, Legeai F, Huguenev P, Dasilva C, Horner D, Mica E, Jublot D, Poulain J, Bruyère C, Billault A, Segurens B, Gouyvenoux M, Ugarte E, Cattonaro F, Anthouard V, Vico V, Del Fabbro C, Alaux M, Di Gaspero G, Dumas V, Felice N, Paillard S, Juman I, Moroldo M, Scalabrin S, Canaguier A, Le Clainche I, Malacrida G, Durand E, Pesole G, Laucou V, Chatelet P, Merdinoglu D, Delledonne M, Pezzotti M, Lecharny A, Scarpelli C, Artiguenave F, Pè ME, Valle G, Morgante M, Caboche M, Adam-Blondon AF, Weissenbach J, Quétier F, Wincker P; French-Italian Public Consortium for Grapevine Genome Characterization. (2007) The grapevine genome sequence suggests ancestral hexaploidization in major angiosperm phyla. *Nature.* 2007 Sep 27;449(7161):463-7.
85. Avesani L., Marconi G., Morandini F., Albertini E., Bruschetta M., Bortesi L., Pezzotti M, Porceddu A. (2007) Stability of Potato virus X expression vectors is related to insert size: implications for replication models and risk assessment . *Trans. Research* Oct;16(5):587-97.
86. Ma JK, Barros E, Bock R, Christou P, Dale PJ, Dix PJ, Fischer R, Irwin J, Mahoney R, Pezzotti M, Schillberg S, Sparrow P, Stoger E, Twyman RM (2005) European Union Framework 6 Pharma-Planta Consortium. Molecular farming for new drugs and vaccines. Current perspectives on the production of pharmaceuticals in transgenic plants. *EMBO Rep.* Jul;6(7):593-9.
87. Cecchetti V, Pomponi M, Altamura MM, Pezzotti M, Marsilio S, D'Angeli S, Torielli GB, Costantino P, Cardarelli M. (2004) Expression of rolB in tobacco flowers affects the coordinated processes of anther dehiscence and style elongation. *Plant J.* May;38(3):512-25.
88. Zenoni S, Reale L, Torielli GB, Lanfaloni L, Porceddu A, Ferrarini A, Moretti C, Zamboni A, Speghini A, Ferranti F, Pezzotti M. (2004) Downregulation of the *Petunia hybrida* alpha-expansin gene PhEXP1 reduces the amount of crystalline cellulose in cell walls and leads to phenotypic changes in petal limbs. *Plant Cell.* Feb;16(2):295-308.
89. Polverari A, Molesini B, Pezzotti M, Buonauro R, Marte M, Delledonne M. Nitric oxide-mediated transcriptional changes in *Arabidopsis thaliana* (2003) *Mol Plant Microbe Interact.* Dec;16(12):1094-105.
90. Vandenbussche M, Zethof J, Souer E, Koes R, Torielli GB, Pezzotti M, Ferrario S, Angenent GC, Gerats T. (2003) Toward the analysis of the *petunia* MADS box gene family by reverse and

- forward transposon insertion mutagenesis approaches: B, C, and D floral organ identity functions require SEPALLATA-like MADS box genes in petunia. *Plant Cell*. Nov;15(11):2680-93.
91. Avesani L, Falorni A, Tornielli GB, Marusic C, Porceddu A, Polverari A, Faleri C, Calcinaro F, Pezzotti M. Improved in planta expression of the human islet autoantigen glutamic acid decarboxylase (GAD65). *Transgenic Res*. 2003 Apr;12(2):203-12.
 92. Weterings K, Pezzotti M, Cornelissen M, Mariani C (2002) Dynamic 1-aminocyclopropane-1-carboxylate-synthase and -oxidase transcript accumulation patterns during pollen tube growth in tobacco styles. *Plant Physiol*. Nov;130(3):1190-200. doi: 10.1104/pp.007831. PMID: 12427986; PMCID: PMC166640.9374.
 93. Pezzotti M, Feron R, Mariani C. (2002) Pollination modulates expression of the PPAL gene, a pistil-specific beta-expansin. *Plant Mol Biol*. May;49(2):187-97.
 94. Porceddu A, Reale L, Lanfaloni L, Moretti C, Sorbolini S, Tedeschini E, Ferranti F, Pezzotti M (1999). Cloning and expression analysis of a *Petunia hybrida* flower specific mitotic-like cyclin. *FEBS Lett*. Nov 26;462(1-2):211-5.

Google Scholar

Citations:15150

H index:57

i10 index:122

Scopus

Results found: 128

Sum of the Times Cited:10410

Sum of Times Cited without self-citations: 7948

Citing Articles: 6660

Citing Articles without self-citations: 5705

Average Citations per Item :66,42

h-index : 50

1. Pezzotti M (2016) Investiamo in ricerca per il vino italiano1 centesimo a bottiglia. *L'Informatore Agrario* 29.
2. Pezzotti M (2016) Alle biotecnologie vegetali serve la sperimentazione in campo. *L'Informatore Agrario* 3.
3. Pezzotti M, Pe' E, Morgante M, Filippone E, Vitale A, Fornara F, Rosellini D, Tuberosa R, Cardi T (2017) Breeding evolutivo o evoluzione del breeding? *L'Informatore Agrario* 41.
4. Pezzotti M, Pe' E, Morgante M, Filippone E, Vitale A, Fornara F, Rosellini D, Tuberosa R, Cardi T (2018) Al progresso dell'agricoltura serve il contributo della scienza. *L'Informatore Agrario* 41.
5. Pezzotti M, Morgante M (2018) Nuove Tecnologie: i nodi non si sciogliono. *L'Informatore Agrario* 3.
6. Pezzotti M (2018) Genome editing: un'altra occasione persa per l'Europa. *L'Informatore Agrario* 30.
7. Pezzotti M (2018) Tra passato e presente, meglio conquistare il futuro. *Supplemento a L'Informatore Agrario* 4.
8. Pezzotti M (2019) Investiamo sul futuro sostenendo la ricerca in agricoltura. *L'Informatore Agrario* 29.
9. Tagliavini M, Ronchi B, Grignani C, Corona P, Tognetti R, Dalla Rosa M, Sambo P, Gerbi V, Pezzotti M, Marangon F Marchetti M (2019) L'intensificazione sostenibile strumento per lo sviluppo dell'agricoltura italiana. Casa editrice: Società di Ortofrutticoltura Italiana (SOI).
10. Zenoni S, Polverari A, Tornielli GB e Pezzotti M (2020) Editing genomico il salto quantico del breeding della vite dell'agricoltura .VVQ NUMERO otto.
11. Polverari A, Zenoni S, Tornielli GB e Pezzotti M(2021) Dal premio Nobel al miglioramento della vite. *L'Informatore Agrario* 1.
12. Pè E, Pezzotti M, Carrada G (2021) Il paradosso del Farm to Fork. *L'Informatore Agrario* 4.
13. Pezzotti (2022) Caro Ministro all'Italia serve l'innovazione genetica. *Informatore Agrario* 39
14. TEA in Bolognini, Morgante, Pezzotti (2023) TEA in campo, l'Italia prima in EU per l'innovazione? *Informatore Agrario* 15

Italiano: Madre Lingua

Inglese: Comprensione, Parlato e Scritto C2

Prof. Mario Pezzotti