




INFORMAZIONI PERSONALI

Luigi Cattivelli

 Crea- Centro di ricerca per la genomica e la bioinformatica, via San Protaso 302,
29017 Fiorenzuola d'Arda, Italia

 0523-983758 

 luigi.cattivelli@crea.gov.it

Sesso M | Data di nascita 31/12/1962 | Nazionalità Italiana

POSIZIONE RICOPERTA

Direttore del Centro di Ricerca Genomica e Bioinformatica (Fiorenzuola d'Arda)

ESPERIENZA
PROFESSIONALE

Dal 2009 ad aprile 2017 **Direttore Centro di ricerca per la genomica vegetale di Fiorenzuola d'Arda**

Il centro svolge attività nel settore della genomica su diverse specie agrarie tra cui il frumento tenero e duro, orzo e riso, inoltre cura il miglioramento genetico dell'orzo.

Dal 2005 al giugno 2010 **Direttore Centro di ricerca per la cerealicoltura di Foggia**

Il centro cura la genetica dei cereali con particolare attenzione al frumento duro.

Dal 1990 al 2004 **Ricercatore c/o Istituto sperimentale per la cerealicoltura di Fiorenzuola d'Arda**

Attività: genetica dei caratteri di resistenza a stress biotici e abiotici in orzo.

Dal 1998 al 2002 **Professore incaricato di Genetica vegetale c/o Università di Verona Facoltà di Biotecnologie**

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

1986 **Laurea in Scienze agrarie presso l'Università Cattolica del S Cuore Facoltà di Agraria (Piacenza) Voto 110/110 con lode**

COMPETENZE PERSONALI

LC si è sempre occupato di miglioramento genetico, genetica e genomica dei cereali (in particolare frumenti ed orzo), dagli studi sulla caratterizzazione della biodiversità sino ai progetti di sequenziamento dei genomi. LC è ed è stato titolare di progetti di ricerca italiani ed europei dedicati al sequenziamento dei genomi dei cereali, allo studio dell'adattamento delle piante all'ambiente (inclusi i cambiamenti climatici), al miglioramento genetico assistito da marcatori molecolari, alla ricerca di nuove fonti di resistenza verso le malattie e per la caratterizzazione ed il miglioramento della qualità dei prodotti.

Dal 2007 al 2010 è stato coordinatore del progetto AGROGEN, un progetto di 11 milioni di euro finanziato dal MIUR e dedicato alla genetica molecolare del grano duro. AGROGEN è stata un'iniziativa di ricerca pubblico-privata finanziata nell'ambito dei bandi PON 2005 che mirava a sviluppare marcatori molecolari idonei alla selezione di nuove cultivar di frumento duro dotate di resistenza alle malattie e superiori caratteristiche qualitative.

Dal 2012 al 2015 LC ha coordinato un progetto di ricerca finanziato dalla Fondazione AGER dedicato all'analisi degli effetti dei cambiamenti climatici sul grano duro (DUCO: Durum wheat response to elevated CO₂). Il progetto ha realizzato una piattaforma sperimentale di Free Air CO₂ Enrichment (FACE) in cui cultivar di grano duro rappresentative di diverse epoche di breeding sono state cresciute in presenza di elevata CO₂ in condizioni di pieno campo per valutare l'impatto della maggiore concentrazione di CO₂ su resa e qualità.

Dal 2015 LC ha partecipato al progetto WHEALBI (bando H2020) dedicato all'analisi della diversità genetica mediante exome capture e rifequenziamento di 500 accessioni di orzo (Bustos-Korts et al, The Plant Journal, 2019) e 500 accessioni di frumento (Pont et al., Nature Genetics, 2019).

LC è membro del Coordination Committee dell'International Wheat Genome Sequencing Consortium (IWGSC), rappresentante Italiano nel Research Committee di Wheat Initiative, agenzia internazionale per il coordinamento della ricerca sul frumento emanazione del G20 dei ministri dell'agricoltura e co-coordinatore del gruppo di lavoro per il coordinamento internazionale della ricerca genomica sul frumento duro. LC è membro dell'editorial board delle riviste scientifiche "*Plant Science*", "*Journal of Cereal Science*" e Associate Editor di "*Frontiers in Plant Science*" e di "*International Journal of Molecular Science*".

LC ha coordinato l'Iniziativa internazionale per il sequenziamento del genoma del frumento duro (Maccaferri et al., Nature Genetics, 2019) ed ha partecipato ai consorzi internazionali per il sequenziamento dei genomi del frumento tenero (IWGSC, Science, 2018) e del farro selvatico (Avni et al., Science, 2017).

La banca dati Scopus censisce oltre 180 lavori su riviste scientifiche internazionali con oltre 8.500 citazioni ed un H-index di 46 (Google scholar: >11.500 citazioni, H-index 55).

Altre lingue

COMPRESIONE	PARLATO	PRODUZIONE SCRITTA
-------------	---------	--------------------

	Ascolto	Letture	Interazione	Produzione orale	
Inglese	C1	C1	C1	C1	C1

ULTERIORI INFORMAZIONI

Pubblicazioni più significative su riviste internazionali 2012-2019

- Guerra D, Mastrangelo AM, Lopez-Torreon G, Marzin S, Schweizer P, Stanca AM, Del Pozo JC, Cattivelli L, Mazzucotelli E, 2012. Identification of a protein network interacting with TdRF1, a wheat RING Ubiquitin ligase with a protective role against cellular dehydration. *Plant Physiology*, 158: 777-789.
- De Vita P, Ficco DBM, Luciani A, Vincentini O, Silano M, Maiuri L, Cattivelli L, 2012. ω -secalin-contained decamer shows a celiac disease prevention activity. *Journal of Cereal Science*, 55:234-242.
- Marone D, Panio G, Ficco DBM, Russo MA, De Vita P, Papa R, Rubiales D, Cattivelli L, Mastrangelo AM, 2012. Characterization of wheat DArT markers: genetic and functional features. *Molecular Genetics and Genomics*, 287:741-753.
- Marone D, Laidò G, Gadaleta A, Colasuonno P, Ficco DBM, Giancaspro A, Giove S, Panio G, Russo MA, De Vita P, Cattivelli L, Papa R, Blanco A, Mastrangelo AM, 2012. A high density consensus map reveals new insight into durum wheat genome evolution. *Theoretical and Applied Genetics*, 125: 1619-1638.
- Bagnaresi P, Biselli C, Orrù L, Urso S, Crispino L, Abbruscato P, Piffanelli P, Lupotto E, Cattivelli L, Valè G, 2012. Comparative transcriptome profiling of the early response to *Magnaporthe oryzae* in durable resistant vs susceptible rice (*Oryza sativa* L.) genotypes. *PLoS One*, 7: e51609.
- Beleggia R, Platani C, Nigro F, De Vita P, Cattivelli L, Papa R, 2013. Effect of genotype, environment and genotype-by-environment interactions on metabolite profiling in durum wheat (*Triticum durum* Desf.) *Journal of Cereal Science*, 57: 183-192.
- Biselli C, Urso S, Tacconi G, Steuermagel B, Schulte D, Stein N, Cattivelli L, Valè G, 2013. Haplotype variability and identification of new functional alleles at the *Rdg2a* leaf stripe resistance gene locus. *Theoretical and Applied Genetics*, 126: 1575-1586.
- Laidò G, Mangini G, Taranto F, Gadaleta A, Blanco A, Cattivelli L, Marone D, Mastrangelo AM, Papa R, De Vita P, 2013. Genetic diversity and population structure of tetraploid wheats (*Triticum turgidum* L.) estimated by SSR, DArT and pedigree data. *PLoS ONE*, 6: e67280.
- Tondelli A, Xu X, Moragues M, Sharma R, Schnaithmann F, Ingvaridsen C, Manninen O, Comadran J, Russell J, Waugh R, Schulman A, Pillen K, Rasmussen S, Kilian B, Cattivelli L, Thomas W, Flavell AJ, 2013. Structural and temporal variation in the genetic diversity of a European collection of barley cultivars and utility for association mapping of quantitative traits. *The Plant Genome*, 6 (2), 1-14.
- Aprile L, Havlickova L, Marè C, Borrelli MG, Panna R, Marone D, Perrotta C, Rampino P, De Bellis L, Cum V, Mastrangelo AM, Rizza F, Cattivelli L, 2013. Different stress responsive strategies to drought and heat in two durum wheat cultivars with contrasting water use efficiency. *BMC Genomics*, 14: 821.
- Crosatti C, Quansah L, Marè C, Giusti L, Roncaglia E, Atienza SG, Cattivelli L, Fait A, 2013. Cytoplasmic genome substitution in wheat affects the nuclear-cytoplasmic cross-talk leading to transcript and metabolite alterations. *BMC Genomics*, 14: 868.
- Peremarti A, Marè C, Aprile A, Roncaglia E, Cattivelli L, Villegas D, Royo C, 2014. Yield penalty in a pale-green durum wheat mutant is associated variations of in the components of the photosystems and metabolism deficiencies under drought stress. *BMC Genomics*, 15: 125.
- Wang S, Wong D, Forrest K, Allen A, Chao S, Huang E, Maccaferri M, Salvi S, Milner SG, Cattivelli L, Mastrangelo AM, Stephen S, Luo M, Dvorak J, Mather D, Appels R, Dufferos R, Brown-Guedira G, Akhunova A, Feuillet C, Salse J, Morgante M, Pozniak C, Wieseke R, Plieske J, Morell M, Dubcovsky J, Ganai M, Tuberosa R, Lawley C, Mikoulitch I, Cavanagh C, Edwards KJ, Hayden M, Akhunov E, 2014. Polyploid wheat genomic diversity revealed by the high-density 90,000 SNP array. *Plant Biotechnology Journal*, 12: 554-567.
- Aragona M, Minio A, Ferrarini A, Valente MT, Bagnaresi P, Orrù L, Infantino A, Valè G, Cattivelli L, Delledonne M, 2014. De novo genome assembly of the soil-borne fungus and tomato pathogen *Pyrenochaeta lycopersici*. *BMC Genomics*, 15:313.
- Tondelli A, Pagani D, Naseh Ghafoori I, Rahimi M, Ataei R, Rizza F, Flavell AJ, Cattivelli L, 2014. Allelic variation at *Fr-H1/Vm-H1* and *Fr-H2* loci is the main determinant of frost tolerance in spring barley. *Environmental and Experimental Botany*, 106: 148-155.
- International Wheat Genome Sequencing Consortium, 2014. A chromosome based draft sequence of the hexaploid bread wheat (*Triticum aestivum*) genome. *Science*, 345: 1251788.
- Petrarulo M, Marone D, Ferragonio P, Giovanniello V, Cattivelli L, Rubiales D, De Vita P, Mastrangelo AM, 2015. Genetic analysis of root morphological traits in wheat. *Molecular Genetics and Genomics*, 290: 785–806.
- D'Orso F, De Leonardis AM, Salvi S, Gadaleta A, Ruberti I, Cattivelli L, Morelli G, Mastrangelo AM, 2015. Evolutionary conservation of AtTZF1/2/3 homolog gene regulation across plant kingdom. *Frontiers in Plant*

- Science*, 6: 394.
- Barabaschi D, Magni F, Volante A, Gadaleta A, Šimková H, Scalabrin S, Prazzoli ML, Bagnaresi P, Lacrima K, Michelotti V, Desiderio F, Orrù L, Francia E, Fricano A, Mastrangelo AM, Tononi P, Vitulo N, Jurman I, Frenkel Z, Cattonaro F, Morgante M, Blanco B, Doležel J, Delledonne M, Stanca AM, Cattivelli L, Valè G, 2015. Physical mapping of bread wheat chromosome 5A through integrated approaches and comparative studies with related genomes. *Plant Genome*, 8: 3.
 - Urso S, Biselli C, Desiderio F, Bagnaresi P, Crispino L, Piffanelli P, Abbruscato P, Assenza F, Guarnieri G, Cattivelli L, Valè G, 2015. Genetic analysis of durable resistance to Magnaporthe oryzae in the rice accession Gigante Vercelli identified two blast resistance loci. *Molecular Genetics and Genomics*. doi 10.1007/s00438-015-1085-8
 - Laidò G, Panio G, Marone D, Russo MA, Ficco DBM, Giovanniello V, Cattivelli L, Steffenson B, De Vita P, Mastrangelo AM, 2015. Identification of resistance loci to African stem rust race TTKSK in tetraploid wheats combining linkage and genome-wide association mapping. *Frontiers in Plant Science*, 6: 1033.
 - Biselli C, Bagnaresi P, Cavalluzzo D, Urso S, Desiderio F, Orasen G, Gianinetti A, Righettini F, Gennaro M, Perrini R, Ben Hassen M, Sacchi GA, Cattivelli L, Valè G, 2015. Deep sequencing transcriptional fingerprinting of rice kernels for dissecting grain quality traits. *BMC Genomics*, 16: 1091.
 - Barabaschi D, Tondelli A, Desiderio F, Volante A, Vaccino P, Valè G, Cattivelli L, 2016. Next generation breeding. *Plant Science*, 242: 3-13.
 - Urso S, Biselli C, Desiderio F, Bagnaresi P, Crispino L, Piffanelli P, Abbruscato P, Assenza F, Guarnieri G, Cattivelli L, Valè G, 2015. Genetic analysis of durable resistance to Magnaporthe oryzae in the rice accession Gigante Vercelli identified two blast resistance loci. *Molecular Genetics and Genomics*, 291: 17-32.
 - Fares C, Menga V, Badeck F, Rizza F, Miglietta F, Zaldei A, Codianni P, Iannucci A, Cattivelli L, 2016. Increasing atmospheric CO2 modifies durum wheat grain quality and pasta cooking quality. *Journal of Cereal Science*, 69: 245-251.
 - Carletti G, Carra A, Allegro G, Vietto L, Bagnaresi P, Desiderio F, Gianinetti A, Cattivelli L, Valè GP, Nervo G, 2016. QTLs for woolly poplar aphid (*Phloeomyzus passerinii* L.) resistance detected in an inter-specific *Populus deltoides* x *P. nigra* mapping population. *PLoS One*, DOI:10.1371/journal.pone.0152569.
 - Biscarini F, Cozzi P, Riccardi P, Vattari A, Casella L, Orasen G, Perrini S, Tacconi G, Tondelli A, Biselli C, Cattivelli L, Spindel J, McCouch S, Piffanelli P, Abbruscato P, Valè G, Greco R, 2016. Genome-wide association study for traits related to plant and grain morphology, and root architecture in temperate rice accessions. *PLoS One*, DOI:10.1371/journal.pone.0155425.
 - Digel B, Verderio G, Tavakol E, Tondelli A, Xu X, Cattivelli L, Rossini L, von Korff M, 2016. Photoperiod 1 (Ppd-H1) controls leaf size in barley. *Plant Physiology*, 172: 405-415. DOI:10.1104/pp.16.00977.
 - Giusti L, Mica E, Bertolini E, De Leonardis AM, Faccioli P, Cattivelli L, Crosatti C, 2016. microRNAs controlling stomatal opening are differentially modulated during heat and drought stresses in durum wheat cultivars with contrasting water use efficiency. *Functional and Integrative Genomics*, 17: 293-309 DOI 10.1007/s10142-016-0527-7
 - Bellucci A, Tondelli A, Fangel JU, Torp AM, Xu X, Willats WGT, Flavell A, Cattivelli L, Rasmussen SK, 2017. Genome-wide association mapping in winter barley for grain yield and culm cell wall polymer content using the high-throughput CoMPP technique. *PLoS One*, doi: 10.1371/journal.pone.0173313
 - Avni R, Nave M, Barad O, Twardziok SO, Gundlach H, Hale I, Mascher M, Himmelbach A, Stein N, Sharpe A, Wiebe K, MacLachlan RP, Jordan RW, Fritz A, Spannagl M, Golan G, Peleg Z, Deek J, Ben-Zvi B, Baruch K, Ben-Zvi G, Sela H, Ben-David R, Budak H, Fahima T, Korol A, Faris J, Hernandez A, Mikel M, Levy A, Steffenson B, Maccaferri M, Tuberosa R, Cattivelli L, Faccioli P, Ceriotti A, Kashkush K, Pourkheirandish M, Komatsuda T, Ohad N, Sharon A, Chamovitz DA, Mayer KFX, Ronen G, Pozniak C, Akhunov E, Distelfeld A, 2017. Wild emmer genome assembly provides insights into wheat evolution and domestication. *Science*, 357, 6346, pp. 93-97. doi: 10.1126/science.aan0032
 - Xue W, Yan J, Zhao G, Jiang Y, Cheng J, Cattivelli L, Tondelli A, 2017. A major QTL on chromosome 7HS controls the response of barley seed germination to salt stress in the Nure x Tremois population. *BMC Genetics* 18:79. doi: 10.1186/s12863-017-0545-z
 - Volante A, Desiderio F, Tondelli A, Perrini R, Orasen G, Biselli C, Riccardi P, Vattari A, Cavalluzzo D, Urso S, Ben Hassen M, Fricano A, Piffanelli P, Cozzi P, Biscarini F, Sacchi GA, Cattivelli L, Valè G, 2017. Genome-wide analysis of japonica rice adaptation to aerobic conditions. *Frontiers in Plant Science* 8:1862 doi: 10.3389/fpls.2017.01862
 - Monostori I, Szira F, Tondelli A, Árendás T, Gierczik K, Cattivelli L, Galiba G, Vágújfalvi A, 2017. Genome-wide association study and genetic diversity analysis on nitrogen use efficiency in a Central European winter wheat collection. *PLoS One*, e0189265. doi.org/10.1371/journal.pone.0189265
 - Buerstmayr M; Steiner B; Wagner C; Schwarz P, Barabaschi D, Volante A, Vale G, Cattivelli L, Buerstmayr H, 2018. High-resolution mapping of the of the peri-centromeric region on wheat chromosome arm 5AS harboring the Fusarium head blight resistance QTL Qfhs.ifa-5A. *Plant Biotechnology Journal*, doi: 10.1111/pbi.12850
 - Xu X, Sharma R, Tondelli A, Schnaithmann F, Pillen K, Kilian B, Cattivelli L, Thomas WTB, Flavell AJ, 2018. Genome-wide association analysis of grain yield-associated traits in a pan-European barley cultivar collection.

The Plant Genome 11: 1 doi: 10.3835/plantgenome2017.08.0073

- Beleggia R, Fragasso M, Menga V, Nigro F, Pecchioni N, Cattivelli L, Miglietta F, Fares C, 2018. Mineral composition of durum wheat grains and pasta under increasing atmospheric CO₂ concentration. *Food Chemistry* 242: 53-61.
- Biselli C, Bagnaresi P, Faccioli P, Hu X, Balcerzark M, Mattera MG, Yan Z, Ouellet T, Cattivelli L, Valè G, 2018. A comprehensive transcriptomic analysis of Fusarium graminearum disease response in near-isogenic hexaploid wheat lines differing for effective alleles at the 2DL fusarium head blight resistance QTL. *Frontiers in Plant Science* 9:37. doi: 10.3389/fpls.2018.00037
- Gianinetti A, Finocchiaro F, Bagnaresi P, Zechini A, Faccioli P, Cattivelli L, Valè G, Biselli C, 2018. Seed dormancy involves a transcriptional program that supports early plastid functionality. *Plants*: 7, 35. doi:10.3390/plants7020035
- De Vita P, Avio L, Sbrana C, Mastrangelo AM, Laidò G, Marone D, Cattivelli L, Giovannetti M, 2018. Genetic markers associated to arbuscular mycorrhizal colonization in durum wheat. *Scientific Reports*, 8, 10612. doi: 10.1038/s41598-018-29020-6
- International Wheat Genome Sequencing Consortium, 2018. Shifting the limits in wheat research and breeding through a fully annotated and anchored reference genome sequence. *Science*: 361, eaar7191.
- Maccaferri M, Harris NS, Twardziok SO, Pasam RK, Gundlach H, Spannagl M, Ormanbekova D, Lux T, Prade V, Milner S, Himmelbach A, Mascher M, Bagnaresi P, Faccioli P, Cozzi P, Lauria M, Lazzari B, Stella A, Manconi A, Gnocchi M, Moscatelli M, Avni R, Deek J, Biyikliglu S, Frascaroli E, Corneti S, Salvi S, Sonnante G, Desiderio F, Marè C, Crosatti C, Mica E, Ozkan H, De Vita P, Marone D, Joukhadar R, Mazzucotelli E, Nigro D, Gadaleta A, Chao S, Faris J, Melo ATO, Pumphrey M, Pecchioni N, Milanese L, Wiebe K, Ens J, MacLachlan RP, Clarke JM, Sharpe AG, Koh K, Liang KYH, Taylor GJ, Knox R, Budak H, Mastrangelo AM, Xu SS, Stein N, Hale I, Distelfeld A, Hayden MJ, Tuberosa T, Walkowiak S, Mayer KFX, Ceriotti A, Pozniak CJ, Cattivelli L, 2019. Durum wheat genome highlights past domestication signatures and future improvement targets. *Nature Genetics*, 51: 885–895. doi: 10.1038/s41588-019-0381-3.
- Pont C, Leroy T, Seidel M, Tondelli A, Goué N, Lang D, Bustos Korts D, Balfourier F, Molnar-Lang M, Lage J, Kilian B, Özkan H, Waite D, Dyer S, WheatBI consortium, IWGSC consortium, Russell J, Keller B, van Eeuwijk F, Spannagl M, Mayer KFX, Waugh R, Stein N, Cattivelli L, Haberer G, Charmet G, Salse S, 2019. Tracing the ancestry of modern bread wheats. *Nature Genetics*, doi: 10.1038/s41588-019-0393-z.
- Desiderio F, Zarei L, Farshadfar E, Chaghmirza K, Licciardello S, Virzi N, Sciacca F, Bagnaresi P, Battaglia R, Guerra D, Palumbo M, Cattivelli L, Mazzucotelli E, 2019. Genomic regions from an Iranian landrace increase kernel size in Triticum durum. *Frontiers in Plant Science*, 10: 448. doi: 10.3389/fpls.2019.00448.
- Bustos-Korts D, Russell J, Dawson IK, Tondelli A, Trabanco N, Ferrandi C, Guerra D, Strozzi F, Nicolazzi EL, Ozkan H, Çakır E, Yakışır E, Molnar-Lang M, Megyeri M, Miko P, Delbono S, Kyriakidis S, Booth A, Cammarano D, Cattivelli L, Rossini L, Stein N, Kilian B, Waugh R, van Eeuwijk FA, 2019. Exome sequences and multi-environment field trials elucidate the genetic basis of adaptation in barley. *The Plant Journal*, 99: 1172-1191. doi: 10.1111/tpj.14414
- Bertazzon N, Bagnaresi P, Forte V, Mazzucotelli E, Filippin L, Guerra D, Zechini A, Cattivelli L, Angelini E, 2019. Grapevine comparative early transcriptomic profiling reveals that Flavescence dorée phytoplasma represses plant responses induced by vector feeding in susceptible varieties. *BMC Genomics*, 20: 526. doi: 10.1186/s12864-019-5908-6
- Biselli C, Volante A, Desiderio F, Tondelli A, Gianinetti A, Finocchiaro F, Taddei F, Gazza L, Sgrulletta D, Cattivelli L, Valè G, 2019. GWAS for starch-related parameters in japonica rice (*Oryza sativa* L.). *Plants*, 8: 292. doi:10.3390/plants8080292
- Xue W, Jiang Y, Zhan Z, Yan J, Cattivelli L, Tondelli A, Cheng J, 2019. Genetic dissection of winter barley seedling response to salt and osmotic stress. *Molecular Breeding*, 39: 137. doi: 10.1007/s11032-019-1042-z

Publicazioni su riviste nazionali
2014-2018

- Cattivelli L, Faccini N, Gianinetti A (coord.), et al, 2014. Le varietà per l'orzo da malto. Prove varietali 2013-2014 al Centro-Nord, Centro-Sud e Isole. *L'Informatore Agrario*, 30: 41-45.
- Stanca AM, Marocco A, Pecchioni N, Valè G, Odoardi M, Faccioli P, Cattivelli L, Terzi V. 2014. *Genetica vegetale*. In Pimpinelli S, Genetica, Casa Editrice Ambrosiana, Milano, pp 155- 221.
- Cattivelli L, Faccini N, Gianinetti A (coord.), et al, 2015. Orzi da malto: quali varietà scegliere. Prove varietali 2014-2015 al Centro-Nord, Centro-Sud e Isole. *L'Informatore Agrario*, 30: 40-42.
- Cattivelli L, Baronchelli M, Alberici R, Faccini N, Stanca AM, Cattivelli L, 2015. Valutazione qualitativa degli orzi da birra in Italia. Risultati delle prove 2013 e 2014. *L'Informatore Agrario*, 32: 56-59.
- Cattivelli L, Faccini N, Gianinetti A (coordinatori), et al, 2016. Annata straordinaria per l'orzo al Nord Italia. *L'Informatore Agrario*, 30: 32-37.
- Cattivelli L, Faccini N, Gianinetti A (coordinatori), et al, 2016. Le varietà migliori per l'orzo da birra. *L'Informatore Agrario*, 30: 39-42.
- Cattivelli L, Faccini N, Gianinetti A (coordinatori), et al, 2017. Orzo: buoni risultati produttivi nonostante i mesi siccitosi. *L'Informatore Agrario*, 29: 36-41.

- Cattivelli L, Faccini N, Gianinetti A (coordinatori), et al, 2017. Annata positiva per l'orzo da birra al Centro-Sud. L'Informatore Agrario, 29: 42-44.
- Gianinetti A, Baronchelli M, Alberici R, Faccini N, Tagliaferri I, Cattivelli L, 2017. Qualità a confronto per gli orzi da birra. L'Informatore Agrario, 29: 45-48.
- Cattivelli L, Faccini N (coordinatori), et al, 2017. Le varietà di triticale consigliate per le semine 2017-2018. L'Informatore Agrario, 33: 44-48.
- Cattivelli L, Faccini N, Gianinetti A (coordinatori), et al, 2018. Pessima annata produttiva per l'orzo zootecnico. L'Informatore Agrario, 30: 35-40.
- Cattivelli L, Faccini N, Gianinetti A (coordinatori), et al, 2018. Campagna 2018 da dimenticare per l'orzo da birra. L'Informatore Agrario, 30: 42-44.
- Cattivelli L, Faccini N (coordinatori), et al, 2018. Triticale: le varietà consigliate per il 2018-2019. L'Informatore Agrario, 34: 46-50.

Riconoscimenti e premi

Nel 1996 LC viene insignito del premio "Luigi Perdisa" bandito da Edagricole/Università di Bologna per giovani ricercatori nel settore delle scienze agrarie.

Fiorenzuola 10-Ottobre-2019

Luigi Cattivelli