

CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI

Cognome e nome
ORCID ID

LAMONTANARA ANTONELLA
0000-0003-3420-1524

ATTIVITÀ SCIENTIFICA

DATA	2020/10 - oggi
POSIZIONE	Ricercatrice III livello
ATTIVITÀ PRINCIPALE	I suoi interessi scientifici sono principalmente rivolti allo sviluppo e applicazione di strumenti bioinformatici per studi di genomica e metagenomica
PRESSO	CREA-GB di Fiorenzuola d'Arda
DATA	2017/01 - 2017/12
POSIZIONE ED ATTIVITÀ	Assegno di ricerca in materia di "Identificazione di peptidi antimicrobici da genomi vegetali mediante genome mining"
PRESSO	Progetto PAMVEG CREA-GB – Fiorenzuola d'Arda (PC)
DATA	2014/06 - 2015/04
POSIZIONE ED ATTIVITÀ	Co.co.co. in materia di "Analisi bioinformatiche di dati microarray e RNAseq per l'identificazione di geni modulati in risposta a stress abiotico in frumento duro"
PRESSO	Progetto ISCOCEM CREA-GB – Fiorenzuola d'Arda (PC)
DATA	Settembre 2013 – Gennaio 2014
POSIZIONE ED ATTIVITÀ	Co.co.co. in materia di "Analisi di dati di sequenziamento next gen di genoma e di trascrittoma"
PRESSO	Progetto POLORISO CREA-GB – Fiorenzuola d'Arda (PC)
DATA	Settembre 2013 – Novembre 2013
POSIZIONE ED ATTIVITÀ	Attività di stage sull'applicazione di strumenti bioinformatici alla genomica microbica
PRESSO	CMBI (Centre for Molecular and Biomolecular Informatics) – Radboud University Nijmegen Medical Centre – the Netherlands
DATA	2012/12 – 2013/08
POSIZIONE ED ATTIVITÀ	Co.co.Co. in materia di "Analisi di dati di sequenziamento next gen di genoma e di trascrittoma"
PRESSO	Progetto POLORISO CREA-GB – Fiorenzuola d'Arda (PC)
DATA	2012/03 – 2012/10
POSIZIONE ED ATTIVITÀ	Co.co.Co. in materia di "Analisi di dati di sequenziamento next gen del genoma e del trascrittoma di frumento"
PRESSO	Progetto MAPPA 5A CREA-GB – Fiorenzuola d'Arda (PC)

DATA	2011/07 – 2011/11
POSIZIONE ED ATTIVITÀ	Co.co.co. in materia di “Analisi di dati di sequenziamento next gen del trascrittoma di olivo” Progetto OLEA
PRESSO	CREA-GB – Fiorenzuola d’Arda (PC)
DATA	2010/05 – 2011/06
POSIZIONE ED ATTIVITÀ	Co.co.co. in materia di “Analisi statistica di dati chimici e biologici” Progetto DRUPOMICS
PRESSO	CREA-GB – Fiorenzuola d’Arda (PC)
DATA	2009/10 – 2010/03
POSIZIONE ED ATTIVITÀ	Borsa di studio sul tema “Utilizzo di informazioni genetiche eterologhe per genomica strutturale e funzionale” Progetto NEMAMEL
PRESSO	CREA-GB – Fiorenzuola d’Arda (PC)

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

DATA	2010/11 – 2015/01
TITOLO RILASCIATO	DOTTORATO DI RICERCA per il Sistema Agroalimentare AGRISYSTEM
TESI	<i>Development and application of bioinformatics pipelines for Next Generation Sequencing data analysis</i>
PRESSO	Università Cattolica del Sacro Cuore – Piacenza
DATA	2009/06
TITOLO RILASCIATO	Esame di Stato per l’abilitazione all’esercizio della libera PROFESSIONE DI CHIMICO
PRESSO	Università degli Studi di Bari
DATA	1999/10 – 2009/04
TITOLO RILASCIATO	LAUREA MAGISTRALE (quinquennale) in CHIMICA - INDIRIZZO ORGANICO ED INORGANICO
TESI	<i>Aspetti applicativi dell’attivazione del legame Carbonio-Cloro nelle reazioni di Heck in liquidi ionici</i> , relatore prof. A. Nacci, Dipartimento di Chimica
PRESSO	Università degli Studi di Bari

COORDINAMENTO/**RESPONSABILITÀ PROGETTI**

DATA	2023-oggi
RESPONSABILITÀ	Responsabile scientifico nell’accordo di collaborazione ex art. 15 della Legge n.241/1990 tra IZSLER e CREA per l’analisi bioinformatica di dati genomici e metagenomici
DURATA	5 anni
DATA	2023 - oggi
RESPONSABILITÀ	Responsabile scientifico della Task 5.6 del WP5: Risequenziamento di isolati di <i>Xylella fastidiosa</i> subsp. <i>pauca</i> ST53 da piante di olivo di diverse varietà in ambiente infetto

PROGETTO	RIGENERA (Approcci IntegRati per il mlgioramento GENEtico, la selezione e l'ottenimento di materiali vegetali Resistenti a <i>Xylella fastidiosA</i>)
ENTE EROGATORE	MISAF
DATA	2022-2024
RESPONSABILITÀ PROGETTO	Responsabile di unità operativa CREA
PROGETTO	QuantiMAP (QUANTIFICAZIONE ASSOLUTA DELLE CELLULE DI MYCOBACTERIUM AVIUM SUBSP. PARATUBERCULOSIS IN CAMPIONI FECALI BOVINI MEDIANTE LO SVILUPPO DI UN SAGGIO DIGITAL PCR - Autofin_TestDiagnostici)
ENTE EROGATORE	Ministero della Salute

PARTECIPAZIONE A PROGETTI

DATA	2024 - oggi
PROGETTO	WATER RETTING 4.0 (Sviluppo e sperimentazione di un bioreattore industriale per l'estrazione della fibra di canapa e la produzione sostenibile di tessuti e materiali per l'edilizia)
ENTE EROGATORE	PR-FESR EMILIA-ROMAGNA 2023-2027
DATA	2023 – oggi
PROGETTO	BioservicES - Linking soil biodiversity and ecosystem functions and services in different land uses: from the identification of drivers, pressures and climate change resilience to their economic valuation
ENTE EROGATORE	Horizon Europe Programme
DATA	2023 – oggi
PROGETTO	AgroBioConnect - Connections in the landscape. Role of landscape complexity in agroecosystem sustainability
ENTE EROGATORE	Joint FACCE-JPI Suscrop Call on Agrobiodiversity
DATA	2023-2025
PROGETTO	IZSME 14-22 RC (Valutazione di differenti biomarkers d'infezione da micobatteri nella bufala mediterranea (<i>Bubalus bubalis</i>) e nel bovino (<i>Bos taurus</i>))
ENTE EROGATORE	Ministero della Salute
DATA	2022 – 2023
PROGETTO	BRUGEN (Studio della risposta cellulo-mediata in corso di brucellosi e analisi di possibili correlazioni con i differenti genotipi di brucella nella Bufala Mediterranea (<i>Bubalus bubalis</i>))
ENTE EROGATORE	Ministero della Salute
DATA	2021 – 2023
PROGETTO	CATERPILLAR (CANapa TEssile peR la Produzione di alimenti funzionali e di biomasse pRoteiche per l'alimentazione animale)
ENTE EROGATORE	PSR 2014-2020 Regione Emilia-Romagna
DATA	2020 – 2023.
PROGETTO	CEREALMED (Enhancing diversity in Mediterranean cereal farming system)

	ENTE EROGATORE	Ministero dell'Università e della Ricerca nell'ambito del programma di ricerca congiunto "PRIMA" (Partnership for Research and Innovation in the Mediterranean Area)
	DATA	2020 - 2022
	PROGETTO	DIVERFARMING (Crop diversification and low-input farming cross Europe: from practitioners' engagement and ecosystems services to increased revenues and value chain organisation)
PREMI	ENTE EROGATORE	H2020 Unione europea
	DATA	2016
	PREMIO	Premio Antico Fattore – Edizione 2016 per l'articolo " <i>Transcriptome changes associated with cold acclimation in leaves of olive tree (Olea europaea L.)</i> " nel quale la sottoscritta è co-primo autore
ATTIVITÀ ED INCARICHI	ENTE EROGATORE	Accademia dei Georgofili
	DATA	Luglio 2026 - oggi
	ATTIVITÀ	Membro della Giuntra dei Ricercatori e Tecnologi del CREA-GB
	DATA	Gennaio 2025
	ATTIVITÀ	Membro della commissione esaminatrice per la procedura concorsuale per n. 1 unità di personale, da assumere con contratto di lavoro a tempo determinato, a tempo parziale all'83%, idoneo all'esercizio di funzioni ascrivibili al profilo professionale di ricercatore – liv. III presso il Centro di ricerca Genomica e Bioinformatica sede di Fiorenzuola d'Arda (PC) del CREA per il progetto RIGENERA
TERZA MISSIONE	DATA	2024-2025
	ATTIVITÀ	Referente CREA-GB per la protezione dei dati personali
BREVETTI		
		Brevetto industriale numero 102020000019921 depositato il 10/08/2020 avente per titolo: " <i>Nuovi peptidi antimicrobici</i> " ed accettato il 15/11/2022
ATTIVITÀ DIVULGATIVE E FORMATIVE		
	DATA	2026/05/19
	ATTIVITÀ	Partecipazione all'evento "Fascination Plants Days. A tu per tu con la Genetica: biodiversità, geni, tea e campi coltivati" con lo stand dal titolo: "Come la Metagenomica e la Bioinformatica leggono il mondo nascosto sotto i nostri piedi"
	DATA	2025/05/15-2025/06/30
	ATTIVITÀ	Tutoraggio di Eleonora Bocchi
	DATA	2024/10/18-2024/10/02

ATTIVITÀ	Tutoraggio di Aboubakr Essedik BEKKOUCHE
DATA	2024/05/02 – 2024/06/28
ATTIVITÀ	Tutoraggio di Eleonora Bocchi
DATA	2022/12
ATTIVITÀ	Tutoraggio di Bilal Rahmoune
DATA	2022/05/17
ATTIVITÀ	Partecipazione all'evento "Fascination Plants Days. Sulle orme di Mendel: non c'è l'agricoltura senza genetica" come assistente dell'evento

PUBBLICAZIONI

RIVISTE INDICIZZATE ISI WOS/SCOPUS

Del Duca S., **Lamontanara A.**, Orrù L., Errani M., Reggiani R. and Moliterni V.M.C. (2026) *A prototype bioreactor for the water retting of hemp bast fiber: dynamics of the liquor bacterial consortium across sequential retting cycles*. Front. Plant Sci. 17:1856675. <https://doi.org/10.3389/fpls.2026.1856675>

Signorelli F., Marè C., De Matteis G., Grandoni F., Orrù L., **Lamontanara A.**, Schiavo L., Donniacuo A., Cerrone P., Spoleto C., De Carlo E., Galiero G., Iovane G., Paciello O., Martucciello A., Napolitano F. (2026). *Host transcriptional responses identify putative diagnostic biomarkers for bovine tuberculosis in cattle and buffalo*, Tuberculosis, 158 - 2026, 102770. <https://doi.org/10.1016/j.tube.2026.102770>

Lamontanara A., Canfora L., Manfredini A., Lamprillo M., Orrù L., Mischczak A., Malusà E., (2025) *A Local Microbiome Survey of Vineyards Representative of the Barbera d'Asti Wine Territory*, Australian Journal of Grape and Wine Research, 2025 - 2530557. <https://doi.org/10.1155/ajgw/2530557>

Filippi A., Ventura G., **Lamontanara A.**, Orrù L., Ostanello F., Frontoni R., Mazzerà L., Tuccia E., Ricchi M., Garbarino C. (2025). *The Results After One Year of an Experimental Protocol Aimed at Reducing Paratuberculosis in an Intensive Dairy Herd*. Animals. 15(18):2695. <https://doi.org/10.3390/ani15182695>

Orrù, L., **Lamontanara, A.**, Mascolo, C., Borriello, G., Paradiso, R., Cerrone, A., et al. (2024). *Genetic diversity of Brucella abortus strains from cattle and water buffalo in the Italian province of Caserta*. Vet Microbiol 299, 110314. <https://doi.org/10.1016/j.vetmic.2024.110314>

Jahnke M., D'Esposito D., Orrù L., **Lamontanara A.**, Dattolo E., Badalamenti F. Mazzuca S., Procaccini G., Orsini L. (2019). *Adaptive responses along a depth and a latitudinal gradient in the endemic seagrass Posidonia oceanica*. Heredity 122, 233–243. <https://doi.org/10.1038/s41437-018-0103-0>, IF 3.436, Q1

- Purahong W., Orrù L., Donati I., Perpetuini G., Cellini A., **Lamontanara A.**, Michelotti V., Tacconi G., Spinelli F. (2018). Plant Microbiome and Its Link to Plant Health: Host Species, Organs and *Pseudomonas syringae* pv. *actinidiae* Infection Shaping Bacterial Phyllosphere Communities of Kiwifruit Plants. *Frontiers in Plant Science* 9, 1563. <https://doi.org/10.3389/fpls.2018.01563>. IF **4.106**, **Q1**
- Michelotti, V., **Lamontanara, A.**, Buriani, G. *et al* (2018). Comparative transcriptome analysis of the interaction between *Actinidia chinensis* var. *chinensis* and *Pseudomonas syringae* pv. *actinidiae* in absence and presence of acibenzolar-S-methyl. *BMC Genomics* 19, 585. <https://doi.org/10.1186/s12864-018-4967-4>. IF **3.501**, **Q2**
- Zago M., Orrù L., Rossetti L., **Lamontanara A.**, Fornasari M.E., Bonvini B., Meucci A., Carminati D., Cattivelli L., Giraffa G. (2017). Survey on the phage resistance mechanisms displayed by a dairy *Lactobacillus helveticus* strain. *Food Microbiology*. 66:110-116. <https://doi.org/10.1016/j.fm.2017.04.014>. IF **4.090**, **Q1**
- D'Esposito., Orrù L., Dattolo E., Bernardo L., **Lamontanara A.**, Orsini L., Serra I., Mazzuca S., Procaccini G. (2016). Transcriptome characterisation and SSR marker development in the seagrass *Posidonia oceanica*. *Scientific Data* 3:160115. <https://doi.org/10.1038/sdata.2016.115>. IF **4.836**, **Q1**
- Lysoe E., Frandsen RJN, Divon HH., Terzi V., Orrù L., **Lamontanara A.**, Kolseth AK., Nielsen KF., Thrane U. (2016). Draft genome sequence and chemical profiling of *Fusarium langsethiae*, an emerging producer of type A trichothecenes. *International Journal of Food Microbiology*, 221:29-36. <https://doi.org/10.1016/j.ijfoodmicro.2016.01.008>. IF **3.339**, **Q1**
- Capozzi V., Di Toro MR., Grieco F., Michelotti V., Salma M, **Lamontanara A.**, Russo P., Orrù L., Alexandre H. (2016). Viable But Not Culturable (VBNC) state of *Brettanomyces bruxellensis* in wine: new insights on molecular basis of VBNC behaviour using a transcriptomic approach. *Food Microbiology*. 59:196-204. <https://doi.org/10.1016/j.fm.2016.06.007>. IF **3.759**, **Q1**
- Salveti E., Orrù L., Capozzi V., Martina A., **Lamontanara A.**, Keller D., Cash H., Felis GE., Cattivelli L., Torriani S., Spano G. (2016). Integrate genome-based assessment of safety for probiotic strains: *Bacillus coagulans* GBI-30, 6086 as a case study. *Appl Microbiol Biot* 100(10):4595-4605. <https://doi.org/10.1007/s00253-016-7416-9>. IF **3.42**, **Q2**
- Guerra D., **Lamontanara A.**, Bagnaresi P., Orrù L., Rizza F., Zelasco S., Beghè D., Ganino T., Pagani D., Cattivelli L.,

Mazzucotelli E. (2015). *Transcriptome changes associated with cold acclimation in leaves of olive tree (Olea europaea L.)*. Tree Genet Genomes 11:113. <https://doi.org/10.1007/s11295-015-0939-x>. Co-primo autore, IF 2.132, Q1

Bagnaresi P., Sala T., Irdani T., Scotto C., **Lamontanara A.**, Beretta M., Rotino G., Sestili S., Cattivelli L., Sabatini E. (2013). *Expression profiling of Solanum torvum responses to the root-knot nematode Meloidogyne incognita*, BMC Genomics, 14:540. <https://doi.org/10.1186/1471-2164-14-540>. IF 4.041, Q1

Colaiacono M., Bernardo L., Centomani I., Crosatti C., Giusti L., Orrù L., Tacconi G., **Lamontanara A.**, Cattivelli L. and Faccioli P. (2012), *A survey of microRNA length variants contributing to miRNome complexity in peach (Prunus persica L.)*. Front. Plant Sci. 3:165. <https://doi.org/10.3389/fpls.2012.00165>. IF 3.637, Q1 in 2013

Colaiacono M., **Lamontanara A.**, Bernardo L., Alberici R., Crosatti C., Giusti L., Cattivelli L. and Faccioli P., *On the complexity of miRNA-mediated regulation in plants: novel insights into the genomic organization of plant miRNAs*. Biol Direct 7, 15 (2012). <https://doi.org/10.1186/1745-6150-7-15>. Co-primo autore, IF 2.2, Q1

Vitulo N., Albiero A., Forcato C., Campagna D., Dal Pero F., Bagnaresi P., Colaiacono M., Faccioli P., **Lamontanara A.**, Simkova H., Dolezel J., Kubalakovà M., Perrotta G., Facella P., Lopez L., Pietrella M., Gianese G., Dolezel J., Giuliano G., Cattivelli L., Valle G., Stanca M. (2011), *First Survey of the Wheat Chromosome 5A Composition through a Next Generation Sequencing Approach*, PLoS ONE 6(10): e26421. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0026421>. IF 4.092, Q1

Colaiacono M., Subacchi A., Bagnaresi P., **Lamontanara A.**, Cattivelli L. and Faccioli P. (2010), *A computational-based update on microRNAs and their targets in barley (Hordeum vulgare L.)*, BMC Genomics, 11:595. <https://doi.org/10.1186/1471-2164-11-595>. IF 4.2, Q1

GENOME ANNOUNCEMENTS

Perez-Ramon A., Mohedano ML., Puertas A., **Lamontanara A.**, Orrù L., Spano G., Capozzi V., Duenas MT., Lopez P. (2016). *Draft genome sequence of Pediococcus parvulus 2.6; a prebiotic β-glucan producer strain*. Genome Announc 4(3):e00506-16. <https://doi.org/10.1128/genomeA.00506-16>

Puertas A., Capozzi V., Llamas M., Lopez P., **Lamontanara A.**, Orrù L., Russo P., Spano G., Duenas MT. (2016). *Draft genome sequence of Lactobacillus collinoides CUPV237 an exopolysaccharide and riboflavin producer isolated from cider*. Genome Announc 4, e00506-16. <https://doi.org/10.1128/genomeA.00506-16>

La Torre A., Bassi D., Zotta T., Orrù L., **Lamontanara A.**, Cocconcelli S. (2016). *Draft genome sequence of Clostridium sporogenes strain UC9000 isolated from raw milk*. Genome Announc 4(2):e00244-16.

<https://doi.org/10.1128/genomeA.00244-16>

Lamontanara A., Caggianiello G., Orrù L., Capozzi V., Michelotti V., Bayjanov JR., Renckens B., van Hijum S., Cattivelli L., Spano G. (2015). *Draft genome sequence of Lactobacillus plantarum Lp90 isolated from wine*. Genome Announc 3(2):e0097-15.

<https://doi.org/10.1128/genomeA.00097-15>

Orrù L., Salvetti E., Cattivelli L., **Lamontanara A.**, Michelotti V., Capozzi V., Spano G., Keller D., Cash H., Martina A., Torriani S., Felis GE. (2014). *Draft genome sequence of Bacillus coagulans GBI-30, 6086, a widely used spore-forming probiotic strain*. Genome Announc 2(6):e01080-14.

<https://doi.org/10.1128/genomeA.01080-14>

Capozzi V., Russo P., **Lamontanara A.**, Orrù L., Cattivelli L., Spano G. (2014). *Genome sequence of five Oenococcus oeni strains isolated from Nero di Troia wine from the same terroir in Apulia, southern Italy*. Genome Announc 2(5):e01077-14.

<https://doi.org/10.1128/genomeA.01077-14>

Lamontanara A., Orrù L., Cattivelli C., Russo P., Spano G., Capozzi V. (2014). *Genome sequence of Oenococcus oeni OM27, the first fully assembled genome of a strain isolated from an Italian wine*. Genome Announc. 2(4): e00658-14.

<https://doi.org/10.1128/genomeA.00658-14>

RIVISTE NAZIONALI

Michelotti V., **Lamontanara A.**, Orrù L., Buriani G., Cellini A., Donati I., Vanneste J., Cattivelli L., Spinelli F., Tacconi G., *Analisi dell'espressione genica nell'interazione Pseudomonas syringae pv. Actinidiae – actinidia*. KIWI informa, speciale numero doppio, anno 10° - N. 10-12/2014 & anno 11° - N. 1-3/2015, pp: 29-32, ISSN 2282-2224

CONFERENCE PROCEEDINGS

Michelotti V., Lamontanara A., Orrù L., Cellini A., Donati I., Buriani G., Vanneste J.L., Cattivelli L., Spinelli F. and Tacconi G. (2018). *Actinidia-Pseudomonas syringae pv. actinidiae interaction: differentially expressed plant transcripts during infection*. Acta Hort. 1218, 315-320. <https://doi.org/10.17660/ActaHortic.2018.1218.43>. ISBN 978-94-62612-15-0

Michelotti V., **Lamontanara A.**, Orrù L., Buriani G., Donati I., Fiorentini L., Tacconi G. and Spinelli F. (2018). *Transcriptome analysis of the Pseudomonas syringae pv. actinidiae (Psa) pathogenesis process*. Acta

Hortic. 1218, 321-326.
<https://doi.org/10.17660/ActaHortic.2018.1218.44>. ISBN 978-94-62612-15-0

Buriani G., Orrù L., **Lamontanara A.**, Michelotti V., Donati I., Cellini A., Tacconi G. and Spinelli F. (2018). Modification of the phyllosphere bacterial biocoenosis by *Pseudomonas syringae* pv. *actinidiae* infection. Acta Hortic. 1218, 275-278.
<https://doi.org/10.17660/ActaHortic.2018.1218.37>. ISBN 978-94-62612-15-0

Michelotti V., **Lamontanara A.**, Orrù L., Cattivelli L., Tacconi G., Buriani G., Cellini A., Donati I., Spinelli F. and Vanneste J. (2015). RNA-Seq analysis of the molecular interaction between *Pseudomonas syringae* pv. *actinidiae* (psa) and the kiwifruit. Acta Hortic. 1096, 357-362.
<https://doi.org/10.17660/ActaHortic.2015.1096.41>. ISBN 978-94-62610-94-1

Michelotti V., **Lamontanara A.**, Buriani G., Cellini A., Donati I., Vanneste J.L., Cattivelli L., Spinelli F., Orrù L. and Tacconi G. (2015). *Unraveling the molecular interaction between Pseudomonas syringae pv actinidiae (Psa) and the kiwifruit plant through RNAseq approach*. Acta Hortic. 1095, 89-94.
<https://doi.org/10.17660/ActaHortic.2015.1095.10>. ISBN 978-94-6261-093-4

Vitulo N., Albiero A., Forcato C., Campagna D., Dal Pero F., Bagnaresi P., Colaiacovo M., Faccioli P., **Lamontanara A.**, Simkova H., Kubalakovà M., Perrotta G., Facella P., Lopez L., Pietrella M., Gianese G., Dolezel J., Giuliano G., Cattivelli L., Valle G., Stanca M., *A first sequencing survey of the wheat chromosome 5A through NGS and identification of genes controlling useful agronomic traits*. Plant Breeding for Future Generations, 19th EUCARPIA General Congress, May 21-24, 2012, Budapest, Hungary, pp: 98-101, ISBN 978-963-8351-39-5

Lamontanara A., Vitulo N., Albiero A., Forcato C., Campagna D., Dal Pero F., Cattivelli L., Bagnaresi P., Colaiacovo M., Faccioli P., Simkova H., Dolezel J., Perrotta G., Giuliano G., Valle G., Stanca M., *The repetitive landscape of Wheat Chromosome 5A. A preliminary study based on low-coverage NGS technologies*, BITS 2010 7th Annual General Meeting of the Bioinformatics Italian Society, April 14-16, 2010, Bari, Italy, pp: 35-37, ISBN 978-88-6194-079-6

LAVORI PRESENTATI A CONGRESSI

CON ISBN

Colombo M., Paradiso G., **Lamontanara A.**, Arlotta C., Guardo M., Aiello L., Licciardello C., Orrù L., Licciardello G., Di Silvestro S., *De novo genome sequencing of different isolates of Plenodomus tracheiphilus, causal agent of mal secco disease*, LXVIII SIGA Annual Congress Viterbo, 09-12 September 2025. ISBN: 978-88-944843-6-6

Del Duca S., **Lamontanara A.**, Manfredini A., Conti G., Farina R., Canfora L., Orrù L., *Enhancing soil bacterial community profiling: PMA treatment and long-read sequencing across biogeographic regions and land uses*. XV National Conference on Biodiversity, II International Conference on Mediterranean Biodiversity, June 3-6, 2025, Perugia, Italy, ISBN 978-88-99407-03-2

Zucco G., Orrù L., **Lamontanara A.**, Rizzo S., Risoli L., Carbone F., Benincasa C., Chiappetta A. A. C., Romeo F. V., Muzzalupo I., *Caratterizzazione di microrganismi dalla carposfera di drupe di olivo*, V Convegno Nazionale dell'Olio e dell'Olio, 26-28 ottobre 2022 Alghero, ISBN 978-88-903404-7-5

CEREALMED: enhancing diversity in mediterranean cereal farming systems, Mazzucotelli E., Mastrangelo A. M., Maccaferri M., Barabaschi D., Desiderio F., Orrù L., **Lamontanara A.**, Campana M., Baffoni L., Marcotuli I., Marone D., Ficco D. B. M., Iannucci A., Russo M. A., Garofalo P., Vonella V., Ventrella D., Cattivelli L., Gadaleta A., Proceedings of the LXIV SIGA Annual Congress Online, 14-16 September, 2021 ISBN: 978-88-944843-2-8

Tacconi G., Michelotti V., Tosi L., **Lamontanara A.**, Giacopini A., Bertaiola F., Cattivelli L., Orrù L., *Plant-microbe-environmental interaction under the soil: the case of kiwifruit vine decline in north Italy*. Proceedings of the LXII SIGA Annual Congress, Verona, Italy – 25/28 September, 2018. ISBN 978-88-904570-8-1

Orrù L., Buriani G., Donati I., Michelotti V., **Lamontanara A.**, Cattivelli L., Tacconi G., Spinelli F., *Response of the phyllosphere bacterial communities in two kiwifruit species to infection with *Pseudomonas syringae* pv *actinidiae**, 4th International conference on microbial diversity 2017, October 24-26, 2017, Bari, Italy, ISBN 978-88-943010-0-7

Lamontanara A., Dilda F., Barabaschi D., Bassi D., Orrù L., Cocconcelli P.S., *Discovery of new antimicrobial peptides by plant genome mining*, SIBV-SIGA Joint Congress, September 19-22, 2017, Pisa, Italy, ISBN 978-88-904570-7-4

Ceccobelli S., Orrù L., Trabalza S., Di Lorenzo P., **Lamontanara A.**, Sarti FM., Dal Bosco A., Lasagna E., RNA-Seq analysis reveals different mechanisms in fatty acids biosynthesis in two chicken strains, ASPA 22th Congress, June 13-16, 2017, Perugia, Italy. ISSN 1594-4077, eISSN 1828-051X

Michelotti V., **Lamontanara A.**, Buriani G., Cellini A., Donati I., Vanneste J., Cattivelli L., Orrù L., Spinelli F., Tacconi G.,

RNAseq analysis of the molecular interaction between Pseudomonas syringae pv. actinidiae (PSA) and the kiwifruit. 58th Annual Congress Italian Society of Agricultural Genetics, Settember 15-18, 2014, Alghero (SS), Italy. ISBN 978-88-904570-4-3

Lamontanara A., Orrù L., Caggianiello G., Capozzi V., Michelotti V., Cattivelli L., Spano G. *Draft genome sequence of Lactobacillus plantarum strain LP90 isolated from Apulian (Italy) wine.* 58th Annual Congress Italian Society of Agricultural Genetics, Settember 15-18, 2014, Alghero (SS), Italy. ISBN 978-88-904570-4-3

Guerra D., **Lamontanara A.**, Bagnaresi P., Orrù L., Rizza F., Baldoni L., Zelasco S., Ganino T., Fabbri A., Pagani D., Cattivelli L., Mazzucotelli E., *New insights on Mediterranean tree response to low temperatures: transcriptome changes of olive tree leaves exposed to cold.* 58th Annual Congress Italian Society of Agricultural Genetics, Settember 15-18, 2014, Alghero (SS), Italy. ISBN 978-88-904570-4-3

Orrù L., **Lamontanara A.**, Crisà A., Failla S., Contò M., Urso S., Moioli B., *Single nucleotide polymorphisms profiling in the transcriptome of Friesiona and Chianina cattle breeds using an RNAseq approach,* ASPA 20th Congress, June 11-13, 2013, Bologna, Italy. ISSN 1594-4077, eISSN 1828-051X

Guerra D., **Lamontanara A.**, Faccioli P., Baldoni L., Zelasco S., Rizza F., Ganino T., Fabbri A., Pagani D., Cattivelli L., Mazzucotelli E., *Molecular and physiological adaptation of Olea Europaea to low temperatures,* 56th Annual Congress Italian Society of Agricultural Genetics, Settember 17-20, 2012, Perugia, Italy. ISBN 978-88-904570-1-2

Bagnaresi P., Urso S., **Lamontanara A.**, Orrù L., Crispino L., Piffanelli P., Lupotto E., Cattivelli L., Valè G., *Dissection of durable blast-resistance in the rice cv. Gigante Vercelli,* 19th EUCARPIA General Congress, May 21-24, 2012, Budapest, Hungary. ISBN 978-963-8351-39-5

Guerra D., **Lamontanara A.**, Bagnaresi P., Baldoni L., Rizza F., Pagani D., Cattivelli L., Mazzucotelli E., *Molecular and physiological adaptation of Olea Europeae to low temperatures,* AGI-SIBV-SIGA, September 19-22, 2011, Assisi, Italy. ISBN 978-88-904570-2-9

Orrù L., Urso S., **Lamontanara A.**, Bagnaresi P., *A comparative study of skeletal muscle transcriptional profiles in two cattle breeds,* AGI-SIBV-SIGA, September 19-22, 2011, Assisi, Italy. ISBN 978-88-904570-2-9

Vitulo N., Albiero A., Forcato C., Campagna D., Dal Pero F., Cattivelli L., Bagnaresi P., Colaiacovo M., Faccioli P., **Lamontanara A.**, Simkova H., Dolezel J., Perrotta G., Pietrella M., Giuliano G., Valle G., Stanca M., *A First Survey*

Of The Wheat Chromosome 5a Composition Through A Next-Generation Sequencing Approach, 54th Annual Congress Italian Society of Agricultural Genetics, Settember 27-30, 2010, Matera, Italy. ISBN 978-88-904570-0-5

Lamontanara A., Bagnaresi P., Irdani T., Scotto C., Rotino G.L., Sabatini E., Sala T., *Development of a 30,000 features solanum torvum expression microarray based on 454 3' sequencing*, 54th Annual Congress Italian Society of Agricultural Genetics, Settember 27-30, 2010, Matera, Italy. ISBN 978-88-904570-0-5

SENZA ISBN

Lamontanara A., Orrù L., Filippi A., Elena Fabbrocino E., Garbarino C., Ricchi M., *A global survey on evolutionary pressures acting on mycobacterium genes*. XVII International Colloquium on Paratuberculosis, June 7-11, 2026, Dresden, Germany.

Orrù L., **Lamontanara A.**, Filippi A., Ventura G., Garbarino C., Ricchi M., *Study of the fungal microbiota of dairy cows: assessment of potential dysbiosis as predisposing or predictive factor for paratuberculosis*. XVII International Colloquium on Paratuberculosis, June 7-11, 2026, Dresden, Germany.

Lamontanara A., Paradiso G., Colombo M., Arlotta C., Guardo M., Aiello L., *Licciardello C., Orrù L., Di Silvestro S., Licciardello G., De novo genome sequencing of five isolates of Plenodomus tracheiphilus, causal agent of Mal secco disease*. XXX SIPav Congress 2025, September 15-17, Catania.

Signorelli F., Marè C., Grandoni F., Orrù L., **Lamontanara A.**, Donniacuo A., Schiavo L., Flores-Villalva S., Galiero G., Martucciello A., Napolitano F. De Matteis G., *Gene expression profiles in healthy and mycobacterium bovis infected cattle and buffalo reveal distinct immunological pathways*, IVIS2025, 14th International Veterinary Immunology Symposium, 11-14 August 2025, Vienna.

Lamontanara A., Orrù L., Garbarino C., Filippi A., Russo S., Ricchi M., *Signature of Selection in Mycobacterium avium subsp. paratuberculosis Reveal Candidate Genes for Host Preferences*. XVI International Colloquium on Paratuberculosis, October 21/25, 2024, India.

Orrù L., **Lamontanara A.**, Mascolo C., Borriello G., Paradiso R., Cerrone A., Tittarelli M., Ferrara C., De Carlo E., Galiero G., Martucciello A., *Caratterizzazione genomica di ceppi di brucella abortus isolati da allevamenti di bufala Mediterranea nella provincia di Caserta*. XXII Congresso Nazionale SIDILV,

11-13 ottobre 2023-Brescia.

Tacconi G., Tosi L., Nari L., Berra L., Spadano D., Prencipe S., Saro S., Marone C., Giannini M., Serra S., Cipriani G., Martini M., Scortichini M., Bardi L., Savian F., **Lamontanara A.**, Michelotti V., Orrù L., Ermacora P., Eight years of kiwifruit vine decline on Italy: biotic and abiotic aspects and other studies. X international symposium oh Kiwifruit, 27-30 September 2021, Yalava, Turkey.

Tumino G., Terzi V., Orrù L., **Lamontanara A.**, Frandsen R.J.N., Nielsen K. K.F., Thrane U., Divon H.H., Kolseth A.K., Lysøe E., *Fusarium langsethiae* genome sequencing, Oats2020 Conference, 23-25 November 2015, Meriden Solihull West Midlands, England.

Michelotti V., **Lamontanara A.**, Orrù L., Buriani G., Cellini A., Donati I., Vanneste J., Cattivelli L., Spinelli F., Tacconi G., *Deciphering kiwifruit transcriptome during the infection by Pseudomonas syringae pv. actinidiae (Psa)*. 2th International PSA Symposium, June 10-12, 2015, Bologna, Italy.

Lysøe E., Divon H.H., Terzi V., Orrù L., **Lamontanara A.**, Kolseth A.K., Frandsen R.J.N., Nielsen K. K.F., Thrane U., *The draft genome sequence of Fusarium langsethiae, a T-2/HT-2 mycotoxin producer*, 13th European Fusarium Seminar, 10-14 may 2015 - Martina Franca (TA) – Italy.

Zago M., Rossetti L., Bonvini B., Fornasari M.E., Orrù L., **Lamontanara A.**, Scaltriti E., Cattivelli L., Carminati D., Giraffa G., *Lactobacillus helveticus* bacteriophages portrait with an in depth look at the phage resistance, 11th Symposium on Lactic Acid Bacteria, August 31 - September 04, 2014 Egmond aan Zee, The Netherlands.

Spano G., Caggianiello G., **Lamontanara A.**, Orrù L., Capozzi V., Michelotti V., Renckens B., Bayjanov J.R., van Hijum S., Cattivelli L., *Draft genome sequence and annotation of Lactobacillus plantarum strain Lp90 isolated from Apulian (Italy) wine*, 11th Symposium on Lactic Acid Bacteria, August 31 - September 04, 2014, Egmond aan Zee, The Netherlands.

Spano G., Caggianiello G., Fiocco D., Arena M.P., Russo P., Orrù L., **Lamontanara A.**, van Hijum S., Capozzi V., *Comparative genome analysis reveals strains specific gene clusters involved in exopolysaccharides biosynthesis in Lactobacillus plantarum*, 11th Symposium on Lactic Acid Bacteria, August 31 - September 04, 2014, Egmond aan Zee, The Netherlands.

Michelotti V., **Lamontanara A.**, Orrù L., Buriani G., Cellini A., Donati I., Vanneste J., Cattivelli L., Spinelli F., Tacconi G., *Unraveling the molecular interaction between Pseudomonas syringae pv. actinidiae (Psa) and the kiwifruit plant through*

RNAseq approach. 1ST INTERNATIONAL SYMPOSIUM ON BACTERIAL CANCER OF KIWIFRUIT (PSA), November 19-22, 2013, Mt Maunganui, Tauranga, New Zealand.

Vitulo N., Albiero A., Forcato C., Campagna D., Dal Pero F., Bagnaresi P., Colaiacovo M., Faccioli P., **Lamontanara A.**, Simkova H., Kubalakovà M., Perrotta G., Facella P., Lopez L., Pietrella M., Gianese G., Dolezel J., Giuliano G., Cattivelli L., Valle G., Stanca M., *A First Survey Of The Wheat Chromosome 5a Composition Through A Next-Generation Sequencing Approach*, Plant & Animal Genomes 20th Conference, January 14-18, 2012, San Diego, California.

Lamontanara A., Bagnaresi P., Orrù L., Urso S., Crispino L., Piffanelli P., Lupotto E., Cattivelli L. and Valè G., *The early response of the blast-resistant rice cv. Gigante Vercelli to Magnaporthe oryzae infection*, New Generation Sequencing Workshop, October 12-14, 2011, Bari, Italy.

Vitulo N., Albiero A., Forcato C., Campagna D., Dal Pero F., Bagnaresi P., Colaiacovo M., Faccioli P., **Lamontanara A.**, Simkova H., Kubalakovà M., Perrotta G., Facella P., Lopez L., Pietrella M., Gianese G., Dolezel J., Giuliano G., Cattivelli L., Valle G., Stanca M., *A First Survey Of The Wheat Chromosome 5a Composition Through A Next-Generation Sequencing Approach*, Plant & Animal Genomes 19th Conference, January 15-19, 2011, San Diego, California.

Vitulo N., Albiero A., Forcato C., Campagna D., Dal Pero F., Cattivelli L., Bagnaresi P., Colaiacovo M., Faccioli P., **Lamontanara A.**, Simkova H., Dolezel J., Perrotta G., Pietrella M., Giuliano G., Valle G., Stanca M., *A First Survey Of The Wheat Chromosome 5a Composition Through A Next-Generation Sequencing Approach*, 14th International Biotechnology Symposium and Exhibition Biotechnology for the Sustainability of Human Society, September 14 – 18, 2010, Palacongressi, Rimini, Italy.

Vitulo N., Albiero A., Forcato C., Campagna D., Dal Pero F., Cattivelli L., Bagnaresi P., Colaiacovo M., Faccioli P., **Lamontanara A.**, Simkova H., Dolezel J., Lucretti S., Perrotta G., Giuliano G., Valle G., Stanca M., *A First Survey Of The Wheat Chromosome 5a Composition Through A Next-Generation Sequencing Approach*, Plant & Animal Genomes 18th Conference, January 9-13, 2010, Town & Country Convention Center San Diego, California.

CONOSCENZE LINGUISTICHE

MADRELINGUA

Italiano

ALTRE LINGUE

Inglese

• CAPACITÀ DI LETTURA

Media

• CAPACITÀ DI SCRITTURA

Media

• CAPACITÀ DI ESPRESSIONE ORALE

Media

CAPACITÀ E COMPETENZE PERSONALI

Buona attitudine al lavoro in team maturata nell'ambito dei progetti di ricerca ai quali ha partecipato.